

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence
A6QL64	AN36A_HUMAN	Homo sapiens	Ankyrin repeat domain-containing protein 36A	17.105831	NaN	NaN	30620550;37217939	MEDGKRERWPTLMERLCSDFGFAFP QYPIKPYHLKRIHRAVLHGNLEKLY LLTTYDANKRDRKERTALHLACAT GQPEMVHLLVSRRCENLDCDREDR TPLIKAVQLRQEACATLLQNGANP NITDFFGRTALHYAVYNEDTSMIEKL LSHGTNIEECSKCEYQPLLFVSRRK VKMVEFLLKKNVNAIDYLGRSALI HAVTLGEKDIVILLQHNIDVLSRDA FRKIAGDYAIEAKNRVIFDLIYAYERK RYEDLPINSNPVSSQKQPALKATSGK EDSISNIATEIKDGQKSGTVSSQKQP ALKDTSDDKDSVSNATATEIKDEQKS GTVLPAVEQCLNRSLYRPDAVAQPV TENEFSLSEIISKLYIPKRKIISPRSI KDVLPVVEEAVDRCLYLLDRFAQPVT KDKFALESENISEPYFTNRRRTISQQS AENLDAACGIDKTENGNMFEDQNV DKEGKALPATGQKANVSPEQPPLFT HTVKDRDHISTRFLGGMDSLTSSEE SSERPPLSTLTLKEADPSSKAAMRRK DSPPPGKVSSQKQPAEKATSDDKDS VSNIAATEIKEGPISGTVSSQKQPAEK ATSDEKDSVSNIAATEIKKGQQSGTVS PQKQSAWKVIFKKVSLLNIAATRIMG GGKSGTVSSQKQPASKATSDKTDASA LNIAATEIKDGLQCGTVSSQKQPALKA TTDEEDSVSNIAATEIKDGEKSGTVSS QKQPALKATTDEEDSVSNIAATEIKDG EKSGTVSSQKQPALKATTDEKDSVS NIAATEIKDGEKSGTVSSQKPPALTAT SDEEGSVLSIARENKDGEKSRTVSSR KKPALKATSDEKDSFNSITRGKKDG EISRKVSSQKPPTLKGTSDEEDSVLG IARENKDGEKSRTVSSEKPPGLKASS AEKDSVLNIARGKKDGEKTRVSSR KKPSLEATSDEKDSFNSITREKKDGE ISRKVSSQKPPALKGTSDEEDSVLGI ARENKDGEKSRTVSSEKPPGLKATS DEKDSVLNIARGKKDGEKTRTVSSQ KPPTLKATSDEEDSVLSIARENKDGE KSRTVSSEKPSGLKATSAEKDSVLNI ARGKKYGEKTRVSSRKKPALKATS DEKDSVLYIAREKKDGEKSRTVSSPK QPALKAICDKEDSVPNMATEKKDEQ ISGTVSCQKQPALKATSDKKDSVSN PTEIKDGQSGTVSSQKQPAWKATS VKKDSVSNIAATEIKDGQIRGTVSPQK QSAQKVIFKKVSLLNIAATRITGGWK

SGTEYPENLPTLKATIENKNSVLNTA  
TKMKDVQTSTPAEQDLEMASEGEQ  
KRLEEYENNPQVKNQIHSRDDLD  
DIIQSSQTVSEGDGSLCCNCKNVILL  
IDQHEMKCKDCVHLLKIKNTFCLWK  
RLIKLKDNHCEQLRVKIRKLKNKAS  
VLQKRRISEKEEIKSQLKHEILELEKEL  
CSLRFAIQQEKKRRNVVEVHQKVR  
EKLRITEEQYRIEADVTKPIKPALKSA  
EVELKTGGNNSNQVSETDEKEDLL  
HENRLMQDEIARLRLEKDTIKNQNL  
EKKYLKDFEIVKRKHEDLQKALKRN  
GETLAKTIACYSGQLAALTDENTTLR  
SKLEKQRESRQRLETQMOSYHCRL  
NAARCDHDQSHSSKRDQELAFQGT  
VDKCRHLQENLNHVLILSLQLSKA  
ESKSRVLKTELHYTGEALKEKALVFE  
HVQSELKQKQSOMKDIEKMYKSGY  
NTMEKCIEKQERFCQLKKQNMLLQ  
QLDDARNKADNQEKAILNIQARCD  
ARVQNLQAECRKHRLLEEDNKML  
VNELNHSKEKECQYEKEKAEREVAV  
RQLQQRDDVLNKGSAKALLDASS  
RHCTYLENGMQDSRKKLDQMRSQF  
QEIQDQLTATIRCTKEMEGDTQKLE  
VEHVMMRKIIKKQDDQIERLEKILQ  
HSSLMLQVFES