

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence	intracellular	extracellular	cytosol	nucleus	mitochondrion
A8CG34	P121C_HUMAN	Homo sapiens	Nuclear envelope pore membrane protein POM 121C	34.311522	S322;S385;S392;T545;T546;T607;S619;S627;S629;T637;T658;T663;T665;T670;S671;S674;T688;S692;S693 (A8CG34-2);S699;S702;T710;S715;S850;T965;S967;T973;S977;T984;T987;T993;T1003;S1031;T1040	S81;S322;S328;S348;S370;S373	36240223;32574038;31492838;30379171;35132862;29351928;33214551;32870666;31373491;34019948;21740066;35254053;30620550;30397120;32119511;34105348;27114449;38665916	MSPAAAAAGAGERRRPIASVRDGRG RCGGGPAGAALLGLSLVGLLLYLVPV AAALAWLAVGTTAAWWSLSREPRG SRPLSSFVQKARHRRRLFASPPAKST ANGNLLPRTLLEGPDPALLMGS YLGKPGPPQAPAPEGQDLRNRFPGR RPPARPAPRSTPPSOPTHRVHHFYPS LPTPLLRPSGRPSPRDRGTLPRDFVI TPRRRYPIHQTOYSCPGVLPVTCWN GYHKKAVLSPRNSRMVCSPTVTRIA PPDRRFRSIAPEQIISSTLSSPSSNA PDPKAKETVLSALKEKKKRTVEEE DQIFLDGQENKRRRHDSGSGHSAF EPLVASGVPAFVVPKPSLKRGLNS QSSDDHLNKRSSSSMSLTLGAYTS GIPSSSRNAITSSYSSTRGISQLWKR NGPSSSPFSSPASSRSQTPERPAKKI REEEELCHHSSSSTPLAADKESQGEK AADTTPRKKQNSNSQSTPGSSGQRK RKVOLLPSRRGEQLTLPPLPQLGYSI TAEDLDLEKASLQWFNQALEDKSD AASNSVTETPPTTQPSFTFLPAAAT ASPPTSLAPSTNPLLESKMKQTPP SLPPCPESAGAATTEALSPPKTPSLL PPLGLSQSGPPGLLPSPSFDSKPPPT LLGLIPAPSMVPATDTKAPTLQAEAT ATKQATSAPSPAPKQSFVFGTQNTS PSSPAAPAASSASPMFKPIFTAPPKS EKEGLTPPGPSVSATAPSSSLPTTT STTAPTFQPVFSSMGPPASVPLPAPF FKQTTTAPATPTTAPLFTGLASATS AVAPITSASPSTDSASKPAFGFGINSV SSSSVSTTTSTATAASQPFLFGAPQA SAASFTPAMGSIFQFGKPPALPTTTT VTTFQSLSLPTAVPTATSSAADFSGF GSTLATSAPATSSOFTLTFSTNTSTPT FNIPFGSSAKSPLPSYPGANPQPAFG AAEGQPPGAAPALTPSFGSSFTFG NSAAPAPATAPTPAPASTIKIVPAHVP TPIQTFGGATHSAFGLKATASAFGA PASSQPAFGGSTAVFSGAATSSGFG ATTQTASSGSSSVFGSTTPSPFTFG GSAAPAGSGSFGINVATPGSSATTGA FSFGAGQSGSTATSTPFTGGLGQNA LGTGQSTPFAFNVGSTTESKPVFG GTATPTFGQNTAPAGVGTSGSLSF GASSAPAGQFVGVGPFSAAPSFSIG AGSKTPGARQLQARRQHTRKK	None	None	None	None	None