

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence
E9PAV3	NACAM_HUMAN	Homo sapiens	Nascent polypeptide-associated complex subunit alpha, muscle-specific form	9.796496	S253;S1066;T1370;T1458	S917;S1181;S1397;S1474;S1906;S1995;T2022;T2024;S2029;S2049;S2054;S2066	33465208	MPGEATETVPATEQELPQPQAETAV LPMSSALSVTAALGQPGPTLPPPCSP APQQCPLSAANQASPFPSSTIASTP LEVFPQSSSGTALPLGTAPEAFTFL PNLIGPPISPAALALASPMIAPTLKGT PSSAPLALVALAPHSVQKSSAFPPN LLTSPPSVAVAESGSVITLSAPIAPSE PKTNLNKVPSEVVPNPKGTPSPPCIV STVPYHCVTPMASIQSGVASLPQTTP TTTLAIASPQVKDTTISVVLISPNPG SLSLKGPVSPPAALSLSTQSLPVVTS SQKTAGPNTPPDFPISLGSHLAPLHQ SSFGSVQLLGQTGPSALSDPTVKTIS VDHSSTGASYPSQRSVIPPLPSRNEV VPATVAAFPVVAPSVDKGPSTISSITC SPSGSLNVATSFSLSPSTSLILKSSPN ATYHYPLVAQMPVSSVGTTPLVVTN PCTIAAAPTTTTFEVATCVSPPMSSGPI SNIEPTSPAALVMAPVAPKEPSTQVA TTLRIPVSPPLPDPELKNLPSSVLV KFPTQKDLQTVPASLEGAPFSPAQA GLTTKKDPTVLPLVQAAPKNSPSFQS TSSSPEIPLSPEATLAKKSLGELPIG KPASSMTSPLGVNSSASVIKTDYAG PDSAGPLLKSSLITPTVAAFPLESADP AGVAPTTAKGTSTYTTTASPFLEGTV SLAPKNHPVKEGTLTTLPLVPTASEN CPVAPSPQNTCAPLATLVLAPLIPKS VPSPSLPPAGTPPGTKKVDGISHTSA LAPVASSPKECPTEDSGASATASSKG TLTYLADSPSPPLGVSVPQTKRPPTK KGSAGPDTPIGNLSSPVSPVEASFLP ENLSFQGSKDSPATTHSPTPPSPKG APTPSAVTPLSPKGVTLPPKETPTPSV VNLFPKKEGPATPAPKQAPALSMTS SSPKKARATPAPKGIPASPSPKGAPT PPAATPPSPKGGPATPSPKWAPTPPA ATPPSPKGGPATPSPKGAPTPPAATP PSPKGGPATPSPKGAPTPPAVTPPSP KGSPAATPFPGASTPPAATPPSPKG SPAATPLPKGAPTTAATLPSKGGP ATPSLKGAPTPAATPPSPKGGPATP SPKGAPMPAATPPSPKGGLATPPH KGAPTTAATPPSPKGGLATPPPKA PTTPAATPPSPKGGLATPPPAGAPTT PAATPPSPKGGLATPSKAPTTAA TPPSKGGLATPSKAPTTAATPP SPKGGLATPSKAPTTAATPPSPK GGPATPPPAGAPTPAATPPSLKGG ATPPHKGAPNPAVVTTPSPKGGPATS PPKAPTPAATPPSPKGGTTPPK GAPTPAVTTPSPKGTPTLPATPSS

							KGGPTTPSSKEGTPPAATPSHKGGP AMTPPSPKRGAIPSPKGDPTSPAVI PLSPKKAPATPVTRREGAATPSKGLT PPAVTPVSLKKAPATSAPKGGPATPS SKGDPTLPAVTPPSPKEPPAPKQVAT SSSPKKAPATPAPMGAPTLPAVIPSS PKEVPATPSSRRDPIAPTATLLSKKTP ATLAPKEALIPPAMTVPSPKKTPAIPT PKEAPATPSSKEASSPPAVTPSTYKG APSPKELLIPPAVTSPPKEAPTTPAV TPPSPEKGPATPAPKGTPTSPPVTPS SLKDSPTSPASVTCKMGATVPQASK GLPAKKGPTALKEVLVAPAPESTPIIT APTRKGPQTKKSSATSPPICPDPSAK NGSKGPLSTVAPAPLLPVQKDSSKTA KGDASHSPKGPLAPPESKASTPLTA AAFEKVLKPKESASVSAAPSPVSLP LAPSPVPTLPPKQQLPSSPGLVLES PSKPLAPADEDELLPLIPPEPISGGVP FQSVLVNMPTPKSAGIPVPTPSAKQP VTKNNKSGTESDSDESVELEEQD STQATTQQAQLAAAAEIDEEPVSKAK QSRSEKKARKAMSKLGLRQVTGVTR VTIRKSKNILFVITKPDVYKSPASDTY IVFGEAKIEDLSQQAQLAAAEKFKVQ GEAVSNIQENTQTPTVQEESSEEEV DETGVEVKDIELVMSQANVSRKAV RALKNNSNDIVNAIMELTM
--	--	--	--	--	--	--	---