

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence
M0R9L0	M0R9L0_RAT	Rattus norvegicus	NaN	9.894158	NaN	NaN	34502162	MPGEATETVPATEQELPQPQAETAV LPMSSALNVTAAPGQPGSPSPSSLG PQQSPLVTAAHQSSPLPSSLPSTPFE VPFAQPETAVPSGAAPPATFLPHLI GPPISPAALALASPVIGPAQKGARSSS APLSLVALAPHSIQKSSVCPHPLTL PPSAAGAESGALTSLTASIPLLESKAS TSQVPSQGTPNLKGTTPCPPDVVSA FPSHLENPLASVQPGLTSCPQTLST SPVKGVPISALTQSLLSLNLRGPVS SPPQSTVTPSIPPAASASLGSPLPLLH HSSLDSPVQPPGQSGTLVNTTISVD HPFVAASYPPERSAVSPLPSRHELAA DSGAAPSIDKGSSAVTKETCSSSGSA NEAGTSLSPAAPLTPKSSNAALQPSV TQVPPPQKPKLKETPASCIRAMHPAL DNPSTMSVAPATHVSPPASSGLIKSE DPASPVSSLSVPAAHKPPAPSMSTT LGIPVSPLPATEGLQNLPISVNAGAP VSPAQAGLPIRKDTTVQTLAPVALKE SPSSQSASSLEVLSEDTKKTGGPAP VVRPAIATGAPTTLDYPPAGYVNPNP VSQPLKSSAPAMAPFLSESCDSKGL VPRTAKDTFPSVNSPLVPLPSEGCPV APSMALSHQNASVSVTTAKSVPFPA PPSAGVSFSSAKKVDVVSQMESSDS SQEGHPNASVSSQTKRPASKKGSFP SDVSPGNVSSPHCSLETSFLPEAGLS FQGPKGASIVPTETSVSSKKTAEILP SPQKTPTATASRLTSAVQSPKLDPTV SDVIPATVVPRDTSASLSLKSVPVAVTS LSSQKAPAAPSNEALVAPTEIPTSL KNALATTAPKETLATSTLKVASTAPV VTSPSPQKTPKSVSPKGAPAVTSKKA KEIAASKEVSTSQFPKEAPLLPHAAP TSPPKSPATDPLNGALTSPSPKVAPA TLVESPTSPKKAPKTAAPKETPVTPS LEGVTAVPLEINPCPKKAPKTSTPKE SSVTLSSKRTPKSAVSKEIPSNEVTA VPLEISLPLKETSKSAIPVEKSTSSSK SSPKTVAPKETLPEEVTAVPLEVSLP PKEMPQNASPRETPPEGVTAVPLEIP PTPKKAPKTSVPKQIPVTPSPKDAFTT LAESPSPKKAPTTAAPKEVPAAPSV GITAVSEISPPKKTSTAVPKEDSAT SYPKRSPKTATPKENSTSSPKRSPKI EAPKETLATSPEGVTAMPEIIPPSPA APASKRVPVTPSPKGASNTLAESSAS PKKAPKTAAPKETSTPSPQKIPKMSG PKETPATPPSKKSPKTVAPKETSAPS

EGVTALPLKVPPSPRKAPKTAVPKET
PAPSPEGVTTALVQIPPSPRKVKRTS
SKETPTNPSPEGVTAAPLEIPLTSKK
NPKMASPKEMLVTPPSKKVSTGDP
KETPPEGVTAVPLEILPSPKKTPTV
PKQVPVTPSPKDAPTTLAESPPSPKK
APTTAAPPSEVTTAPPEKATPQKA
SATVASKVLVPAETLEVAVSPKETHP
SSHKKTPKTVDLKEGPAALPPSPTKS
PKISSSKAQNTSAPIEFPASSSIKAV
TTSLAQTVPCVQKAPSTIAPQENSAA
PVAIPVSNKSPAAPTANASVALAAA
SLSPTPQVKISPSKKTPTSALQTVPK
EATTIPSGKKAPAIETSNETSTTSLK
GAPKETSETSTSKGVLSTVNSSSPK
KVPSSKRATLPATTLPSIKEASVLS
VPTSSTKDSHTYPVSTACSTATTPQ
ASEKLPAPKEPAALTEVPAAPAPESA
LAIQVPIQKVPRTKRNSASPPKCPDP
SAKKDTKGLLSAVALAPQTVPVEKN
SSKPIEVLPLCPAKGSDSVHSPKGPM
ESQEATPQAAFTSDKVLPAVSKSVA
PKPTLAASLTLAPSPVPLPPKQPFL
QSAPESVLESPSKLPVPADEDELPL
IPPEAVSGGVFPQILVNMPTPKPAG
IPAPAPSAKQPVKNNKSGTESDS
DESVPLEEQDSTQATQQAQLAAA
AEIDEEPVSQAKQSRSEKKARKAMS
KLGLRQVTGVTRVTIRKSKNILFVITK
PDVYKSPASDTYIVFGEAKIEDLSQQ
AQLAAAEKFKVQGEAVSNIQENTQT
PTVQEESEEEVDETGVEVKDIELV
MSQANVSRKAVRALKNNSNDIVN
AIMELTM