

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence
O14974	MYPT1_HUMAN	Homo sapiens	Protein phosphatase 1 regulatory subunit 12A	45.774616	S379;T381;T385;S387;T388;T396;S401;T416;T464;S477;S479;S564;S565;S566;S569;T570;T571;S572;T573;T577;S578;S585;S588;S589;T590;T592;T594;T597;S601;S618;T631;T637;S644;T645;S746;S773;T774;S775;S776;S777;T778;T779;S781;S782;S783;S785;T786;S788;S789;S790;S794;S795;S802;T807;S808;S835	S299;S422;S432;T443;S445;T446;S472;S473;S477;S507;S509;S601;S618;S692;S695;T696;S802;S852;S862;S871;S903;S908;S910;S995	32119511;34725712;37217939;25367160;31637018;23301498;28411811;32574038;36240223;22661428;31373491;21740066;30059200;35289036;34019870;33214551;29237092;30379171;34019948;35254053;20305658;27655845;28657654;31492838;22967762;35138101;27114449;32295844;30620550;35132862;29351928;18840611	MKMADAKQKRNEQLKRWIGSETDL EPPVVKRQKTKVKFDDGAVFLAACS SGDTDEVLLKLLHRGADINYANVDGL TALHQACIDDNVDMVKFLVENGANI NQPDNREGWIPLHAAASCGYLDIAEF LIGQGAHVGVANSEGDTPLDIAEEE AMEELLQNEVNRQGV DIEAARKEEE RIMLRDARQWLNSGHINDVRHAKS GGTALHVAAAKGYTEVLKLLIQAGYD VNIKDYDGTWPLHAAAHWGKEEAC RILVDNLCDMEMVNVKVGQTAFDVA DEDILGYLEELQKKQNLHSEKRDK KSPLIESTANMDNNSQKTFKNKET LIIPEKNASRIESLEQEKVDEEEEG KKDESSCSSEDEEDDSESEAETDK TKPLASVTNANTSS TQAAPVAVTTPT VSSGQATPTSPIKKFPTTATKISPKEE ERKDESPATWRLGLRKTGSYGALAE ITASKEGQKEKDTAGVTRSASSPRLS SSLDNKEKEKDSKGTRELAYVAPTIPR RLASTSDIEEKENRDSSSLRTSSSYT RRKWEDDLKKNSSVNEGSTYHKSC SFGRRQDDLSSVSPSTTSTPTVTS AGLQKSLSSSTSTTTKITTGSSSAGT QSSTSNRLWAEDSTEKEKDSVPTAV TIPVAPTIVNAAASTTTTTLTTTAGTVS STTEVRERRRSYLT PVRDEESESQRK ARSRQARQRRSTQGVTLTDLQEA KTIGRSRSTRTREQENEEKEKEEKE KQDKEKQEEKKESETSREDEYKQKY SRTYDETYQRYRPVSTSSSTTPSSSL STMSSSLYASSQLNRPNSLVGITSAY SRGITKENEREKREKEKEGEDKS QPKSIRERRRRPREKRRSTGVSFWTQ DSDENEQEQQSDTEEGSNKKTQT DSISRYETSSSAGDRYD SLLGRSGS YSYLEERKPYSSRLEKDDSTDFKKLY EQILAENEKLAQLHDTNMELTDLK LQLEKATQRQERFADRSLLEMEKRE RRALERRISEMEEELKMLPDLKADN QRLKDENGALIRVISKLSK