

| UniprotKB ID | Entry name | organism | full name | oglcnacscore | oglcnac sites | phosphorylation sites | PMIDS | sequence |
|--------------|-------------|--------------|--|--------------|--|---|--|---|
| O14974 | MYPT1_HUMAN | Homo sapiens | Protein phosphatase 1 regulatory subunit 12A | 47.450686 | S379;T381;T385;T388;T396;T416;T464;S477;S479;S564;S565;S566;S569;T570;T571;S572;T573;T577;S578;S585;S589;T590;T592;T594;S601;S618;T631;T637;T645;S746;S773;T774;S775;S776;S777;T778;T779;S781;S782;S783;S785;T786;S788;S789;S790;S794;S795;S802;T807;S808;S835 | S299;S422;S432;T443;S445;T446;S472;S473;S477;S507;S509;S601;S618;S692;S695;T696;S802;S852;S862;S871;S903;S908;S910;S995 | 30379171;33214551;27655845;31492838;32119511;30620550;31637018;30059200;25367160;21740066;18840611;22967762;32295844;34019870;28657654;29351928;31373491;29237092;34019948;28411811;27114449;20305658;22661428;32574038;23301498 | MKMADAKQKRNEQLKRWIGSETDL EPPVVKRQKTKVKFDDGAVFLAACS SGDTEVLKLLHRGADINYANVDGL TALHQACIDDNVDMVKFLVENGANI NQPDPNEGWIPLHAAASCGYLDIAEF LIGQGAHVGVANSEGDTPLDIAEEE AMEELLQNEVNRQGVNDIEAARKEEE RIMLRDARQWLNNSGHINDVRHAKS GGTALHVAAAKGYTEVLKLLIQAGYD VNIKDYDGWTPHAAAHWGKEEAC RILVDNLCDMEMVNVKVGQTAFDVA DEDILGYLEELQKKQNLHSEKRDK KSPLIESTANMDNNQSQKTFKNKET LIIPEKNASRIESLEQEKVDEEEEG KKDESSCSSEDEEDDSESEAETDK TKPLASVTNANTSSQAAPVAVTPT VSSGQATPTSPIKKFPTTATKISPKEE ERKDESPATWRLGLRKTGSYGALAE ITASKEGQKEKDTAGVTRSASSPRLS SSLDNKEKEKDSKGTRELAYVAPTIPR RLASTSDIEEKENRDSSSLRTSSSYT RRKWEDDLKKNSSVNEGSTYHKSC SFGRRQDDLSSVSPSTTSTPTVTS AGLQKSLSSSTSTTTKITTGSSSAGT QSSTSNRLWAEDSTEKEKDSVPTAV TIPVAPTIVNAAASTTTTTLTTTAGTVS STTEVRERRRSYLTTPVRDEESESQRK ARSRQARQRRRSTQGVTLTDLQEA KTIGRSRSTRTREQENEEKEKEEKE KQDKEKQEEKKESETSREDEYKQKY SRTYDETYQRYRPVSTSSSTTPSSSL STMSSSLYASSQLNRPNSLVGITSAY SRGITKENEREGEKREEEKEGEDKS QPKSIRERRRRPREKRRSTGVSFWTQ DSDENEQEQQSDTEEGSNKKTQT DSISRYETSSSAGDRYDSSLGRSGS YSYLEERKPYSSRLEKDDSTDFKKLY EQILAENEKLAQLHDTNMELTDLK LQLEKATQRQERFADRSLLEMEKRE RRALERRISEMEEELKMLPDLKADN QRLKDENGALIRVISKLSK |