

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence
O15047	SET1A_HUMAN	Homo sapiens	Histone-lysine N-methyltransferase SETD1A	23.307835	T256;T271;T274;S275;S278;T279;S282;S288;S290;T291	S459;S464;S508;S565;S915;S1103	31492838;29351928;32119511;34019948;21740066;30620550;35254053;30397120;35132862;35138101;30059200;33214551;35289036;20305658;30379171;32574038	MDQEGGGDQKAPSFQWRNYKLIVDPALDPALRRPSQKVYRVYDGVHVSFVNDISKYIPVEDLQDPRCHVRSKNRDFSLPVPKFKLDEFYIGQIPLKEVTFARLNDNVRETFLKDMCRKYGEVEVEEILLHPRTKHLGLARVLFSTRGAKETVKNLHLTSVMGNIIHAQLDIKGGQRMKYELIVNGSYTPQTVPTGGKALSEKFQGSAAATETAESRRRSSSDTAAYPAGTTAVGTPGNGTPCSQDTSFSSSRQDTPSSFGQFTPQSSQGTPTYSRGSTPYSQDSAYSSSTTSTSFKPRRSNSYQDAFSRRHFSASSASTTASTAIAATTAAATASSASSSSLSSSSSSSSSSSSSSQFRSSDANYPAYYESWNRYQRHTSYPPRRATREEPPGAPFAENTAERFPPSYTSYLPPEPSRPTDQDYRPPASEAPPEPPEPGGGGGGGGPPSPEREVVRTSPRPASPARSGSPAPETTNESVPFAQHSSLDRIEMLLKEQRSKFSFLASDTEEEEENSSMVLGARDTGSEVPSSGGHGPCTPPPAPANFEDVAPTGSSEPGATRESPKANGQNAQSPCSSGDDMEISDDDRGGSPPPAPTPPQQPPPPPPPPPPPPPPYLAASPLGYPHPQPAYLLPPRPDGGPPPEYPPPPPPPHIYDFVNSLELMDRLGAQWGGMPMSFQMOTQMLTRLHQLRQKGLIAASAGPPGGAFGEAFLPFPQQEAAAYGLPYALYAQQQEGRGAYSREAYHLPMPMAAEPLSSSVSGEEARLPPREEAELAEGKTLPTAGTVGRVLAQLVQEMKSIMQRDLNRKMVENVAFGAFDQWWESKEEKAKPFQNAAKQQAKEEDKEKTKLKEPGLLSLVDWAKSGGTTGIEAFAFGSGLRGALRLPSFKVKRKEPSEISEASEEKRRPSTPAEEDDDPEQEKEAGEPGRPGTKPPKRDEERGKTQGKHRKSFALDSEGEEASQESSEKDEEDDEEEDDEEDDREEAVDTTKKETEVSDEDEESDSSSKCSLYADSDGENDSTSDSESSSSSSSSSSSSSSSSSSSSSSSESSSEEEEEERPAALPSASPPPREVPVPTPAVVEVPVPERVAGSPVTPLPEQEASPARPAGPTEESPPSAPLRPPEPPAGPPAPAPRPDERPSSPIPLPPPKRRRTVFSFAIEVVPAPPPPATPPQAKFPGPASRKAPRGVERTIRNPLDHASLVKSWPEEVSRGGRSRAGGRGRLTEEEAEPGTEVDLAVLADLALTPARRGLPALPAVEDSEATESTSDEAERPRPLLSHILLEHNYALAVKPTPPAPALRPPEVPVPAALFSSPADEVLEAPEVVVAEAEPEKPPQLQQOREEGEEEGEEEGEEEEEESSDSSSSSDGEGALRRRSLRSHARRRRPPPPPPPPPRAYEPRSEFEQMTILYDIWNSGLDSEMSYLRLLTYERLLQQTSGADWLNDTHWVHHTITNLTPKRKRPPQDGPREDTGSARSEGYYPISKKEKDKYLDVCPVSARQLEGVDTQGTNRVLSERRSEQRRLLSAIGTSAIMSDLLKLNQLKFRKCKLRFGRSRIHEWGLFAMEPIAADEMVIEWVQONIRQMVAADMREKRYVQEGIGSSYLFRV

