	UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence	intracellular	extracellular	cytosol	nucleus	mitochndrion	endoplasmic reticulum	golgi apparatus	plasma membrane	extracellular region
0	O43345	ZN208_HUMAN	Homo sapiens	Zinc finger protein 208	22.903221	T1164;S1182	NaN	38253038	MGSLTFRDVAIEFSLEEWQCLDTAQ QNLYRNVMLENYRNLVFLGIAAFKP DLIIFLEEGKESWNMKRHEMVEESP VICSHFAQDLWPEQGIEDSFQKVILR RYEKCGHENLHLKIGYTNVDECKVH KEGYNKLNQSLTTTQSKVFQRGKYA NVFHKCSNSNRHKIRHTGKKHLQC KEYVRSFCMLSHLSQHKRIYTRENS YKCEEGGKAFNWSSTLTYYKSAHTG EKPYRCKECGKAFSKFSILTKHKVIH TGEKSYKCEECGKAFNQSAILTKHKI IHTGEKPNKCEECGKAFSKVSTLTT HKAIHAGEKPYKCKECGKAFSKVST LITHKAIHAGEKPYKCKECGKAFSKF SILTKHKVIHTGEKPYKCEECGKAYK WPSTLSYHKKIHTGEKPYKCEECGK GFSMFSILTKHEVIHTGEKPYKCEEC GKAFNWSSNLMEHKKIHTGETPYK CEECGKGFSMFSILTKHKVIHNGEK PYKCEECDKATHAGEKPYKCEECGK AFNWSSNLMEHKRIHTGEKPYKCE ECGKSFSTFSILTKHKVIHTGEKPYK CEECGKAYKWSSTLSYHKKIHTVEK PYKCEECGKAFNQSAILIKHKRIHTG EKPYKCEECGKTFSKVSTLTTHKAIH AGEKPYKCKECGKTFIKVSTLTTHKA IHAGEKPYKCKECGKAFSKFSILTKH KVIHTGEKPYKCEECGKAFNWSSNL MEHKRIHTGEKPYKCEECGKSFSTF SVLTKHKVIHTGEKPYKCEECGKAY KWSSTLSYHKKIHTVEKPYKCEECG KAFNRSAILIKHKRIHTDEKPYKCEE CGKTFSKVSTLTTHKAIHAGEKPYKC KECGKAFSKFSILTKHKVIHTGEKPY KCEECGKAYKWPSTLSYHKKIHTGE KPYKCEECGKGFSMFSILTKHEVIHT GEKPYKCEECGKAFSWLSVFSKHKK THAGEKFYKCEACGKAYKSSSTLSY HKKIHTEEKPYKYEECGKGFSTFSIL TKHKVIHTGEKPYKCEECGKAFNWS SNLMEHKKIHTGETPYKCEECDKAF SWPSSLTEHKATHAGEKPYKCEECG KAFSWPSRLTEHKATHAGEEPYKCE ECGKAFNWSSNLMEHKRIHTGEKP YKCEECGKSFSTFSILTKHKVIHTGE KPYKCEECGKAYKWSSTLSYHKKIH TVEKPYKCEECGKGFVMFSILAKHK VIHTGEKLYKCEECGKAYKWPSTLR YHKKIHTGEKPYKCEECGKAFSTFSI LTKHKVIHTGEKPYKCEECGKAFSW LSVFSKHKKIHTGEKL	None	None	None	None	None	None	None	None	None