

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglnacscore	oglnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence	intracellular	extracellular	cytosol	nucleus	mitochondrion	endoplasmic reticulum	golgi apparatus	plasma membrane	extracellular region
O88492	PLIN4_MOUSE	Mus musculus	Perilipin-4	25.629171	NaN	S25;S31;S1281;T1287	36288343	MSASGDGTRVPPKSKGKTLSSFFGS LPGFSSARNLVSHTHSSSTTKDLQT ATDPSGTPAPSSKVSTNSQMGADAA GLLPSEQTAGDKDMGSFVTSSED AFSGVFGIMDAAKGMVQGGGATQ SALVGTKEAVSGGVMGAVGVAKGLV KGGLDTSKNVLTNTKDTVTTGVMGA ANMAKGTVQTGLDTTKSVVMGTKD TVATGLAGAVNVAKGTIQGGLDTTK SVVMGTKDVTVTGLTGAVNVAKGVV QGGLDTTKSVVMGTKDVTVTGLTGA MNVAKGTAQMGIIDTSKTVLTGTRKDT VCAGATGAINVAKGAAQGGLDTTKS VLIQTKDVTVTGLTGAVNVAKGAVQ GGLDTTKSVVMGTKDVTVTGLTGAM NVAKGTAQMGLGTSKTVLTGTRKDTV CAGLTGAINVAKGAAQGGLDTTKSV LMGTKDVTVTGLTGAVNVAKGTIQGG LDTTKSVVMGTKDVTVTGLTGAVN VAKGTIQQGLDTTKSVVMGTKDVTVT GLTGAVNVAKGAAQGGLDTTKSVV MGTKDTVTVTGLTGAMNVAKGTAQM GLGTSKTVLTGTRKDTVCAGLTGAINV AKGAAQGGLDTTKSVLMGTKDVTVT GLTGAVNVAKGTIQQGLDTTKSVVM GKDTVTVTGLTGAVNVAKGAVQGG DTTKSVVMGTKDVTVTGLTGALNVA KGTAAQMGIDTSKTVLIGTKDVCAGA TGAINMAKGAQGGLDTTKSVLMG KDTVTVTGLTGAINVAKGSAQGGLD TKSVLIGTKDVTVTGLTGALNVAKGT VQTGLDTSQRVLTGKDNVYAGVTG AVNVAKGTIQQGLDTTKSVVMGTKD TVTTGLTGAVNVAKGAVQGGLDTTK SVVMGTKDVTVTGLTGAMNVAKGT AQMGIIDTSKTVLTGTRKDTVCAGLTG AINVAKGATQGGLDTTKSVLMGTKD TVTTGLTGAINVAKGAAQGGLDTTKS VLLGTKDVTVTGLTGAAVAKETVQ MGLDTSKNILMDTKDSICAGATGAIT VVKGAAQGGLDTSNAALTGTMDTAK GTVQTSLDTSKHMLIGMKDVCAGV TSAMNMAKGIHKNTDTRDTQSSVL AHSQNVATNAIHTGVHTVPSLSGS HSIICHEPSIYRATNHGVGQAILTSTE SLCCETSFSFKYGLGHVTEPRADT KTLVSGMASSACAATRSVEECGOLA ATGFAALPELKGKLDIFQPMTTEE QAQLAVSESGPRVLSADRGSYYIRLG DLAPFRQRAFEHALSHIQHNQFQA RAALAQLEAFQMTDMTMEAACGK LCSDSLNTMVEAVGSHEMRASVA QDRLCTLAHQLHAAYSSLVTSLQGL PEVQQAGQARHSLCKLYGLVSSSEA GSELTQTEQLAQSSAGVVEAWQGLEV LLEKLOQNPPLSWLVGPFTSMPCGQ L	False	True	2.829	1.99	3.742	1.795	1.216	5.0	1.658