

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence	intracellular	extracellular	cytosol	nucleus	mitochondrio
P02545	LMNA_HUMAN	Homo sapiens	Prelamin-A/C	51.24746	S18;T27;T91;S268;S423;T585;S599;S601;S603;S612;S613;S615;S616;S618;S619;T621;T623;S628;S632;S636;T643	T3;S5;T10;S12;S18;T19;S22;S51;S66;S71;S107;S212;S277;S282;S301;S307;S390;S392;S395;S398;S403;S404;S406;S407;S414;T416;S423;S426;S429;S431;S458;S463;T496;T505;T510;S533;S546;T548;S568;S571;S612;S613;S616;S619;S628;S632;S636;S652	30444036;35083852;22121020;28657654;35132862;33465208;35254053;28604694;34846842;37217939;34725712;32119511;26853435;32870666;34019948;29237092;30059200;32574038;20068230;30379171;37340703;22661428;38665916;36240223;22967762;30620550;31373491;28510447;39302247;39534244;35289036;29351928;29772801;27655845;25367160;34065225;39531497;23271734;31492838;33214551	METPSQRRATRSGAQSSTPLSPTRI TRLQEKEDLQELNDR LAVYIDRVRS LETENAGLRLRITESEEVVSREVSGI KAAYEALGDARKTLD SVAKERARL QLELSKVREEFKELKARNTKKEGDLI AAQARLKDLEALLNSKEAALSTALSE KRTLEGELHDLRGQVAKLEAALGEA KKQLQDEMLRRVDAENRLQTMKEE LDFQKNIYSEELRETKRRHETRLVEI DNGKQREFESRLADALQELRAQHE DQVEQYKKELEKTYSAKLDNARQSA ERNNSNLVGAHEELQQSRIRIDSLSA QLSLOKQLAAKEAKLRDLEDLSLAR ERDTSRRLAEKEREMAEMRARMQ QQLDEYQELLDIKLALDMEIHAYRKL LEGEERLRLSPSPQRSRGRASS HSSQTQGGGVTKKRLESTESRSS FSQHARTSGRVAVEEVDEEGKFVRL RNKSNEDQSMGNWQKRQNGDDP LLTYRFPKFTLKAGQVVTIWAAGAG ATHSPPTDLVWKAQNTWGCGNSLR TALINSTGEEVAMRKLVRVSVTVVED DEDEDGDDLLHHHGHSHCSSSGDP AEYNLRSRTVLCGTCCGQPADKASAS GSGAQVGGPISSGSSASSVTVTRSYR SVGGSGGSGFDNLVTRSYLLGNSS PRTQSPQNC SIM	True	False	4.777	5.0	2.522