

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence
P08047	SP1_HUMAN	Homo sapiens	Transcription factor Sp1	100.0	S120;S126;T128;S134;T254;T265;S271;S273;T276;S312;T394;S421;T424;S446;T453;T455;S491;S507;S510;T517;S612;T640;S641;S698;S702	S2;S7;S59;S101;T278;T453;S612;T640;S641;T651;T668;S670;T681;S698;S702;T739	23301498;28054006;24802710;9343410;29351928;33214551;17614351;30397120;24995865;25352121;34638625;24129563;21795679;20305658;20657584;9079710;19193796;19302979;16408927;26499076;20699577;21105874;9111324;31866443;35138101;9452489;31847126;17049555;33686291;16027160;28510447;27655845;11371615;16332679;21740066;24553187;23013401;34019948	MSDQDHSMDEMTAVVKIEKGVGGN NNGNGNGGGAFSQARSSSTGSSSST GGGGQESQPSPLALLAATCSRIQSPN ENSNNNSQGPSQSGGTGELDLTATQL SQGANGWQIISSSGATPTSKEQSGS STNGSNGSESSKNRTVSGGQYVVA APNLQNQQVLTGLPGVMPNIIQYVI PQFQTVDGQQLQFAATGAQVQQDG SGQIQIIPGANQQIITNRGSGGNI MPNLLQQAAPLQGLANNVLSGQTQ YVTNVPVALNGNITLLPVNSVSAATL TPSSQAVTISSSGSQESGSQPVTSGT TISSASLVSSQASSSFFFTNANSYST TTTTSNMGIMNFTTSGSSGTNSQGG TPQRVSGLQGS DALNIQQNQTSGGS LQAGQQKEGEQNQQTQQQQILIQPQ LVQGGQALQALQAAPLSGQTFTTQAI SQETLQNLQLQAVPNSGPIIIRPTV GPNGQVSWQTLQLQNLQVQNPQAO TITLAPMQGVSLGQTS SSNTTLPIA SAASIPAGTVTVNAAQLSSMPGLQTI NLSALGTSGIQVHPIQGLPLAIANAP GDHGAQLGLHGAGGDGIHDDTAGG EEGENSPDAQPQAGRRTRREACTCP YCKDSEGRGSGDPGKKKQHICHIQG CGKVYGKTSHLRAHLRWHTGERPF MCTWSYCGKRFRTRSDQLRHKRTH TGEKKFACPECPKRFMRSDHLSKHI KTHQNKKGPGVALSVGTLPLDSGA GSESGTATPSALITTNMVAMEAICP EGIARLANSGINVMQVADLQSNISG NGF