

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence
P08047	SP1_HUMAN	Homo sapiens	Transcription factor Sp1	100.0	S120;S126;T128;S134;T254;T265;S271;S273;T276;S312;T394;S421;T424;S446;T453;T455;S491;S507;S510;T517;S612;T640;S641;S698;S702	S2;S7;S59;S101;T278;T453;S612;T640;S641;T651;T668;S670;T681;S698;S702;T739	19302979;33214551;27655845;20699577;17049555;31847126;25352121;23013401;24129563;30397120;21105874;16408927;21795679;28054006;21740066;17614351;9079710;26499076;11371615;9343410;29351928;24802710;24553187;34019948;9452489;16332679;20305658;24995865;20657584;31866443;9111324;19193796;33686291;16027160;23301498;28510447	MSDQDHSMDDEMTAVVKIEKGVGGN NGGNGNGGGAFSQARSSSTGSSSST GGGGQESQPSPLALLAATCSRIESPN ENSNNSQGPSQSGGTGELDLTATQL SQGANGWQIISSSGATPTSKEQSGS STNGSNGSESSKNRTVSGGQYVVA APNLQNQQVLTGLPGVMPNIQYQVI PQFQTVDGGQLQFAATGAQVQQDG SGQIQIIPGANQQIITNRGSGGNI MPNLLQAVPLQGLANNVLSGQTQ YVTNVPVALNGNITLLPVNSVSAATL TPSSQAVTISSSGSQESGSPVTS TISSASLVSSQASSSFFTNANSYST TTTTSNMGIMNFTTSGSSGTNSQGG TPQRVSGLQGS DALNIQQNQTSGGS LQAGQQKEGEGNQQTQQQQILIQPQ LVQGGQALQALQAAPLSGQTFTTQAI SQETLQNLQLQAVPNSGPIIIRPTV GPNGQVSWQTLQLQNLQVQNPQAO TITLAPMQGVSLGQTSSTNTLTPIA SAASIPAGTVTVNAAQLSSMPGLQTI NLSALGTSGIQVHPIQGLPLAIANAP GDHGAQLGLHGAGGDIHDDTAGG EEGENSPDAQPQAGRRTRREACTCP YCKDSEGRGSDPGKKKQHICHIQG CGKVYGKTSHLRAHLRWHTGERPF MCTWSYCGKRFRTRSDQLRHKRTH TGEKKFACPECPKRFMRSDHLSKHI KTHQNKKGPGVALSVGTLPLDSGA GSESGTATPSALITTNMVAMEAICP EGIARLANSGINVMQVADLQSNISG NGF

0