

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnaScore	oglcna sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence	intracellular	extracellular	cytosol	nucleus	mitochondrion
P08670	VIME_HUMAN	Homo sapiens	Vimentin	53.815146	S5;S7;T20;S22;S25;S26;S27;S29;T32;T33;S34;T35;T37;S39;S42;S47;T48;S49;S51;S55;S56;T63;T94;S214;T327;S412;T458	S5;S7;S8;S9;S10;T20;S25;S26;S34;S39;S42;S47;S49;S51;T53;S55;S56;T61;S66;S72;S73;S83;S87;T117;S144;S214;S226;S299;S325;S409;S412;S419;S420;T426;S430;T436;S438;T446;T458;S459	40136647;23301498;30379171;31492838;26853435;18653473;40914422;20068230;39990658;29237092;37217939;40596516;21740066;38665916;30059200;30620550;39534244;39302247;29513221;34019948;29351928;39531497;23271734;40307207;22121020;28657654;35289036;35132862;35083852;32522876;20305658;33214551;28262738;31373491;36240223;23576270;35254053;35008409;33465208	MSTRVSSSSYRRMFGGPGTASRPS SSRSYVITSTRYSLGSALRPSTSRSL YASSPGGVYATRSSAVRLRSSVPGVR LLQDSVDFSLADAINTEFKNTRTNE KVELQELNDRFANYIDKVRFLQEQN KILLAELEQLKGGGKSRLGDLYE MRELRROVDQLTNDKARVEVERDN LAEDIMRLREKLQEEMLOREEAENT LQSFROVDNASTLARLDLERKVESL QEEIAFLKKLHEEIQELQAQIQEQH VQIDVDVSKPDLTAALRDVRRQY VAAKNLQEAEEWYKSKFADLSEAN RNDALRQAKQESTYRRQVQSLTC EVDALKGTNESLERQREMEENFA VEAANYQDTIGRLQDEIQNMKEEMA RHLREYQDLLNVKMLDIEIATYRKL LEGEESRISLPLPNFSSLNLRNLD SLPLVDTHSKRTLLIKTVETRDGQVI NETSQHHDDLE	True	True	5.0	4.41	3.36