

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglnacscore	oglnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence
P19246	NFH_MOUSE	Mus musculus	Neurofilament heavy polypeptide	25.098986	NaN	S74;S122;S345;S416;S419;S508;S523;S529;S535;S541;S547;S553;S559;S565;S571;S577;S583;S589;S595;S601;S607;S613;S619;S625;S631;S637;S643;S649;S655;S661;S667;S673;S679;S685;S691;S697;S703;S709;S715;S721;S727;S733;S739;S745;S751;S757;S763;S769;S783;S789;S795;S809;S815;S834;T839;S859;S867;S888;S947	22645316;33300544;18353774	MMSFGSADALLGAPFAPLHGGGSL HYSLSRKAGPGGTRSAAGSSSGFHS WARTSVSSVSASPSRFRGAASSTDSL DTLSNGPEGCVVAAVAARSEKEQLQ ALNDRFAGYIDKVRQLEAHNRSLEG EAAALRQQQAGRAAMGELYEREVR EMRGAVLRLGAARGQLRLEQEHLLE DIAHVRQRLDEEARQREAEAAARA LARFAQEAEEARVELQKKAQALQEE CGYLRRHHQEEVGELLGQIQGCGAA QAQAQAEARDALKCDVTSALREIRA QLEGHAVQSTLQSEEWFRVRLDRLS EAAKVNTDAMRSAQEEITEYRRQLQ ARTTELEALKSTKESLERORSELEDR HQADIASYQDAIQQLDSELRNTKWE MAAQLREYQDLLNVKMALDIEIAAY RKLEGEECRIGFGPSPFSLTEGLPK IPSISTHIKVKSEEMIKVVEKSEKETV IVEGQTEEIRVTEGVTEEDKEAQGQ EGEEAEEGEEKEEEEGAAATSPPAE EAASPEKETKSRVKEEAKSPGEAKSP GEAKSPAIAKSPGEAKSPGEAKSPG EAKSPAEPKSPAEPKSPAIAKSPAEP KSPATVKSPGEAKSPSEAKSPAIAKS PAIAKSPAIAKSPAIAKSPAIAKSPA EAKSPATVKSPGEAKSPSEAKSPAIA KSPAIAKSPAIAKSPAIAKSPAIAKS PAEPKSPAIAKSPAIAKSPAIAKSPA EAKSPAIAKSPAIAKSPAIAKSPAIAV KSPAIAKSPAIAKSPAIAKSPAIAKS PIEVKSPEKAKTPVKEGAKSPAIAKS PEKAKSPVKEDIKPPAIAKSPAIAKS PVKEGAKPPEKAKPLDVKSPEAQTPV QEEAKHPTDIRPPEQVKSPEAKKAKS PEKEEAKTSEKVAPKKEEVKSPVKEE VKAKEPPKKVEEEKTLPTPKTEAKES KKDEAPKEAPKPKVEEKKETPTEKP KDSTAEAKKEEAGEKKKAVASEEET PAKLGVKEEAKPKEKTETTKTEAEDT KAKEPSKPTETEKPKKEEMPAAPEK KDTKEEKTTESRKPEEKPKMEAKVK EDDKSLSKEPSKPKTEKAEKSSSTD QKESQPPEKTTEDKATKGEK