

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence
P25357	SNT1_YEAST	Saccharomyces cerevisiae	Probable DNA-binding protein SNT1	9.365641	NaN	S187;S395;T796;S1037	33229814	MGYPPPTRRLGDKKRYHYSNNPNR RHPSAVYSKNSFPKSSNNGFVSSPT ADNSTNPSVTPSTASVPLPTAAPGST FGIEAPRPSRYDPSSVSRPSSSSYSST RKIGSRYNPDVERSSSTTSSTPESM NTSTITHNTNDIGNSRYSRKTMSRY NPQSTSSTNVTHFPSALSAPPFYV ANGSSRRPRSMDDYSPDVTNKLET NNVSSVNNNSPHSYYSRSNKWRSI GTPSRPPFDNHVGNMTTTSNTNSIH QREPFWKANSTTILKSTHSQSSPSL HTKKFHDANKLKDPEASVKVETPSK DETKAISYHDNNFPPRKS SVSKPNAP LEPDNIKVGEDALGKKEVHKSGRE IAKEHPTPVKMKEHDELEARAKKVS KINIDGKQDEIWTTAKTVASAVEVSK ESQKELTRSVERKESPEIRDYERAYD PKALKTDVTKLTVDNDNKSYEEPLE KVEGCIFPLPKAETRLWELKNQKRN KIISEQKYLKKAIRNFSEYPFYAQNK LIHQQATGLILTKIISKIKKEEHLKKI NLKHDFDLQKKYEKECEILTKLSE NLRKEEIKRKEHELMEQKRREE GIETEKEKSLRHPSSSSSSRRRNRAD FVDDAEMENVLLQIDPNYKHYQAAA TIPPLILDPIRKHSYKFCDVNNLVTD KKLWASRILKDasDNFTDHEHSLFL EgYLIHPKKFGKISHYMGGLRSPEE CVLHYRTRKKTVNYKQLLIDKNKKR KMSAAAKRRKRKERSNDEEVEVDE SKEESTNTIEKEEKENNAEENVQP VLVQGSEVKGDPLGTPEKVENMIEQ RGEFAGELENAERVNDLKRAHDE VGEESNKSSVIETNNGVQIMDPKGA VQNGYYPEETKELDFSLENALQRKK HKSAPeHKTSYWSVRESQLFPeLLK EFGSQWSLISEKLGTKSTTMVRNYY QRNAARNGWKLlVDETDLKRDGTS SESVQSQILIQPERPNINAYSNIppQ QRPALGYFVGQPTHGHNTSISSIDGS IRPFgPDFHRDTFSKISAPLTTLPpPR LPSIQFPRSEMAEPTVTDLRNRPLD HIDTLADAASSVTNNQNFSNERNAI DIGRKSTTISNLLNNSDRSMKSSFQ SASRHEAQLEDTPSMNNIVVQeIKP NITTPRSSSISALLNPVNGNGQSNPD GRPLLPFQHAI SQGTPTFPLPAPRTS PISRAPPKFNFSNDPLAALAAVASAP DAMSSFLSKKENN

