

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence
P35658	NU214_HUMAN	Homo sapiens	Nuclear pore complex protein Nup214	69.889301	T267;S430;S433;T434;T436;T437;T439;S440;S441;S450;S457;T469;S471;T494;T496;S501;S503;S504;S506;S508;S509;S521;S526;S542;S547;T556;S564;S566;S575;S579;T580;S581;T592;S597;T598;S601;S602;S603;S605;S610;S613;S614;S616;S621;T628;S631;S636;S651;S961;S974;S1038;S1044;S1045;T1051;S1052;T1055;S1056;S1058;S1083;S1087;S1103;T1134;S1136;T1137;S1141;S1142;S1146;T1147;T1150;T1156;S1167;T1178;S1181;S1185;T1193;T1198;T1201;S1202;T1203;S1205;S1207;S1211;S1215;S1217;S1219;T1221;T1229;T1231;S1233;S1234;T1243;S1245;T1246;S1249;S1250;S1256;S1281;T1283;T1284;S1291;T1301;S1304;T1305;T1306;S1324;S1325;T1330;S1333;S1335;S1345;T1349;S1353;S1354;T1355;S1356;T1358;S1359;T1360;T1363;T1365;S1366;S1370;T1375;S1413;T1417;S1418;S1421;S1422;S1426;T1430;T1437;T1459;S1549;S1551;S1559;S1564;T1571;T1572;T1579;S1586;T1637;T1639;S1640;S1642;S1643;S1652;S1653;S1654;S1655;T1690;S1692;T1696;S1704;S1709;T1716;S1737;S1738;S1741;S1752;S1761;T1763;T1767;S1768;S1770;S1776;S1777;T1778;S1779;S1780;S1781;S1782;S1783;S1866;S1869;S1870;S1872;S1887;S1894;S1904;S1905;S1907;S1912;T1913;T1915;S1916;T1918;S1919;S1925;T1929;S1936;S1937;T1944;T1946;S1948;S1949;S1953;S1956;S1962;S1963;T1967;S1985;S1996;T2001;T2016;S2020	S30;T416;S421;S430;S433;T434;T437;T439;S651;S657;S666;T670;S678;S760;S940;S970;S974;S989;T1021;S1023;S1045;S1056;S1081;T1134;T1150;T1156;S1181;T1312;S1353;S1963;S1985	32119511;34725712;21158410;20676906;29249144;23301498;22121020;32574038;36240223;22661428;28510447;31373491;21740066;30059200;20068230;35289036;33214551;29237092;30379171;34019948;35254053;20305658;32870666;37340703;30296064;27655845;21300897;28657654;31492838;34931806;27114449;34846842;28604694;30620550;35132862;29351928	MGDEMDAMIPEREMKDFQFRALKKVRIFDSPEELPKERSLLAVSNKYGLVFAGGASGLQIFFTKNLLIKNKPGDDPNKIVDKVQGLLVPMKFPPIHHLALS CDNLTLT SACMMSSEYGSIIAFFDVRTFSNEAKQQKRPFAHKLLKADAGMVIDMKWNPVTPSLPMVAVLGDGSIADV LQVTETVKVCATLPSTVAVTSVCWSPKGGQLAVGKQNGTVVQYLPQLQEKK VPCPPFYEDHPVVRVLDVWLWIGTYVFAIVYAAADGTLETSPDVVMALLPKK EKHPEIFVNFMEPCYGSCTERQHHYYLSYIEEWDLVLAASAASTEVSILAR QSDQINWESWLEDDSSRAELPVTDKSDDSLPMGVVVDYTNQVEITISDEKTLPPAPVLMLLSTDGVLCPPFYMINQNPGVKS LIKTPERLSLEGERQPKSPGSTPTTPTSSQAPQKLDASAAAAPASLPSSSPAAPATFSLLPAGGAPTVFSFGSSSLKSSATVTGEPSSYSSGSDSSKAA PGPGPSTFVFPSSKASLAPTPAASP VAPSAASFSGSSGFKPTLESTPVPSVSAPNIAMKPSFPPSTSAVKVNLSEKFTAAATSTPVSSSQSAPPMSFPSSASKPAASGPLSHPTPLSAPPSSVPLKSSPLPSPSGRSAQSSSPVPSMVQKSPRITPPAAKPGSPQAKSLQPAVAEKQGHQWKSDSDPVMAGIGEEIAHFQKELEL KARTSKACFQVGTSEEMKMLRTE SDDLHTFFLEIKETTESLHGDISSLKTTLLEGFAGVEEAREQNERNRDSGYLHLLYKRPLDPKSEAQLQEIRRLHQYVKFAVDQVNDVLDLEWDQHLEQKKQRHLLVPERETLFTLANNREIINQQRKRLNHLVDSLQQLRLYKQTSLSLSLSSAVPSQSSIHSDLESLSL CN ALLKTTIESHTKSLPKVPAKLSPMKQAQLRNFLAKRKTTPVVRSTAPASLSRS AFLSQRYEDLDEVSSSTSSVSQSLES EDARTSCKDDEAVVQAPRHAPVVRTPSIQPSLLPHAAPFAKSHLVHGSSPGVMGTSVATSASKIIPQGADSTMLATKTVKHGAPSPSHIPISAPQAAAAAALRR QMASQAPAVNTLTESTLKNVPQVVNVQELKNNPATPSTAMGSSVPYSTAKTPHPVLT PVAANQAKQGLINSKPSGPTPASGQLSSGDKASGTAKIETAVTSTPSASGQFSKPFSPSGTGFNFNGIITPTPSSNFTAAQGATPSTKESSQPD AFSSGGGSKPSYEAIPESPPSGITSA SNTTTPGEPAAASSRPVAPSGTALSTSSKLETTPSKL GELLFPSSLAGETLGSFSGLRVQADDSTKPTNKASSTSLTSTQPTKTSGVPSGFNFNTAPPVLGKHTEPPVTSSATITTSVAPPAATSTSS AVFGSLPVTSAAGSSGVISFGGTSLSA GKT SFSFGSQQTNSTVPPSAPPPTTAATPLP TSFPTLSFGSLLSATTPLPMSAGRSTEEATSSALPEKPGDSEVSASAASLLEEQQSAQLPQAPPQTSDSVKKEPVL AQPAVSNSGTAASSTSLVALSAEATPATTGVPDARTEAVPPASSF

