

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence
P37198	NUP62_HUMAN	Homo sapiens	Nuclear pore glycoprotein p62	79.20251	T13;T17;T20;T23;T25;T26;T27;T30;S33;S35;T36;S37;T39;T52;S53;T54;S56;T57;S61;T64;T66;T69;T71;T72;T75;T78;S89;S95;S100;T102;T105;S112;S118;S119;T122;S126;S127;T128;T130;S131;S132;T135;T138;S145;T146;T147;S148;T153;T154;S155;S159;T161;S169;S175;S179;T183;T187;T191;T194;T198;T199;T203;T209;T211;T215;S216;S224;T227;T230;S231;S232;T234;T235;S238;T241;T244;T245;T250;T253;S265;T269;T270;S272;S304;T306;T311;S325;S374	S408;S418	33214551;27655845;31492838;32119511;29771506;30169966;27935279;23777819;27056667;30397120;20680651;30296064;21740066;33950562;9079710;33465208;28686627;21300897;10926833;31626249;29351928;28657654;29237092;34019948;22121020;12874386;20305658;33686291;32870666;23301498;28510447	MSGFNFGGTGAPTGGFTFGTAKTAT TTPATGFSFSTSGTGGFNFGAPFQPA TSTPSTGLFSLATQTPATQTTGFTFG TATLASGGTGFSGLGIGASKLNLSNTA ATPAMANPSGFGLGSSNLTNAISST VTSSQGTAPTGFVFGPSTTSVAPATT SGGFSFTGGSTAQPSGFNIGSAGNS AQPTAPATLPFTPATPAATTAGATQP AAPTPTATITSTGPSLFASIATAPTSS ATTGLSLCTPVTTAGAPTAGTQGFSL KAPGAASGTSTTTSTAATATATTTSS SSTTG FALNLKPLAPAGIPSNLAAAV TAPPGPGAAAGAAASSAMTYAQLS LINKWSLELEDQERHFLQQATQVNA WDRTLIENGEKITSLHREVEKVKLD QKRLDQELDFILSQQKELEDLLSPLE ELVKEQSGTIYQLQHADEEREKTYKLA ENIDAQLKRMAQDLKDIEHLNLTSG APADTSDPLQQICKILNAHMDSLQW IDQNSALLQRKVEEVTKVCEGRRKE QERSFRITFD