

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence
P48678	LMNA_MOUSE	Mus musculus	Prelamin-A/C	24.290009	S611;S613;S614;T644	T3;S12;S18;T19;S22;S51;S66;S71;S107;S212;S277;S301;S307;S390;S392;S395;S398;S403;S404;S407;S409;S414;S429;S431;S458;S463;T496;S500;T505;T510;S533;S546;T548;S570;S573;S613;S614;S617;S620;S629;S633;S637;S653;S392;S407;S409;S572;S460	30016717;30059200;34105348;21540332	METPSQRRATRSGAQASSTPLSPTRI TRLQEKEDLQELNDR LAVYIDRVRS LETENAGLRLRITESEEVVSREVS KAAYEAELGDARKTLDVAKERARL QLELSKVREEFKELKARNTKKEGDL LAAQARLKDLEALLNSKEAALSTALS EKRTLEGELHDLRGQVAKLEAALGE AKKQLQDEMLRRVDAENRLQTLKE ELDFQKNIYSEELRETKRRHETRLVE IDNGKQREFESRLADALQELRAQHE DQVEQYKKELEKTYSAKLDNARQSA ERNSNLVGA AHEELQQSRIRIDSLSA QLSQLQKQLAAKEAKLRDLED SLAR ERDTSRRLLAEKEREMAEMRARMQ QQLDEYQELLDIKLALDMEIHAYRKL LEGEEERLRLSPSPTSQRSRGRASS HSSQSQGGGSVTKKRKLESSESRS FSQHARTSGRVAVEEVDEEGK FVRL RNKSNE DQSMGNWQIRRQNGDDP LMTYRFPKFTLKAGQVVTIWASGA GATHSPPTDLVWKAQNTWGC GSSL RTALINSTGEEVAMRKLVRSLTMVE DNEDDEDGEELLHHHRGSHCSGS GDPAEYNLRSRTVLCGTCGQPADKA AGGAGAQVGGSISSGSSASSVTVTRS FRSVGGSGGSGFDNLVTRSYLLGN SSPRSQSSQNCSIM