

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence
P49791	NU153_RAT	Rattus norvegicus	Nuclear pore complex protein Nup153	14.643058	NaN	T97;T103;S183;S186;S193;S204;S210;S241;S258;S321;S331;S334;S335;S339;S344;T370;T389;S500;S516;S529;S607;S619;S633;S886;S1450;S1454;S1456	18683930	MASGAGGIGGGGGGGKIRTRRCHQ GPVKPYQQGRPQHQGILSRVTESVK NIVPGWLQRYFNKSEACSCSVNAD EVPRWENREDEREIYVDENTNTDD GRTTPEPTGSNTEEPSTTSTASNYPD VLTRPSLHRSHLNFSVLESPALHCQ PSTSSAFPIGSSGFSLVKEIKDSTSQ HDDDNISTTSGFSSRASEKDIAVSKN TSLPPLWSPEAERSHLSQHTAISK KPAFNLSAFGTLSTSLGNSSILKTSQ LGDSPFYPGKTTYGGAAA AVRQNKV RSTPYQAPVRRQMKAKQLNAQSYGV TSSTARRILQSLEKMSSPLADAKRIP SAVSSPLNSPLDRSGIDSTVFQAKKE KVDSQYPPVQRLMTPKPVSIATNRTV YFKPSLTPSGDLRKTNRIDKKNSTV DEKNISRQNRREQESGFSYPNFSIPAA NGLSSGVGGGGGKMRRETTTHFVA SKPSEEEVEVPLLQISLPISSSSLP TFNFSSPAISAASSSSVSPSQPLSNK VQMTSLGSTGNPVFTFSSPIVKSTQA DVLPPASIGFTFSVPLAKTELSGPNS SSETVLSSSVTAQDNTVVNSSSSKK RSAPCEDPFTPAKILREGSVLDILKTP GFMSPKVDSPALQPTTTSSIVYTRPAI STFSSSGVEFGESLKAGSSWQCDC LLQNKVTDNKCIAQAAKLPKETA KQTGIGTPSKSDKPASTSGTGFGDKF KPAIGTWDCTCLVQNKPEAVKCV CETPKPGTGVKRALPLTVASESPVTA SSSTTVTTGTLGFGDKFKRPVGSWE CPVCCVSNKAEDSRCVCTSEKPG VSASSNSVPVSLPSGGCLGLDKFK KPEGSWDCEVCLVQNKADSTKCIAC ESAKPGTKSEFKGFGTSSSLNPAPSA FKFGIPSSSSGLSQTFTSTGNFKFGD QGGFKLGTSSDSGSTNTMNTNFKF PKPTGDFKFGVLPDSKPEEIKNDSK NDNFQFGPSSGLSNPASSAPFQFGV STLGQQEKKEELPQSSSAGFSFGAG VANPSSAAIDTTVTSENKSGFNFGTI DTKSVSVTPFTYKTEAKKEDASATK GGFTFGKVDSAALSSPSMFVLRTE EKQQEPVTSTSLVFGKKADNEEPKC QPVFSFGNSEQTKDESSSKPTFSFS VAKPSVKESDQLAKATFAFGNQNTNT TTDQGAAKPAFSLNSSSSSSSTPAT SSSASIFGSSTSSSSPPVAAFVFGQA SNPVSSSAFGNSAESSTSQPLLPQ

								DGKPATTSSTASAAPPVFGTGASSN STVSSGFTFGATTTSSSSGSFFVFGT GHSAPSASPAFGANQTPTFGQSQGA SQPNPPSFGSISSTALFSAGSQPVP PPTFGTVSSSSQPPVFGQPSQSAFG SGTANASSVFQFGSSTTNFNFTNNN PSGVFTFGASPSTPAAAAQPSGSGGF SFSQSPASFTVGSNGKNMFSSSGTS VSGRKIKTAVRRKK
--	--	--	--	--	--	--	--	--