

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence
P52594	AGFG1_HUMAN	Homo sapiens	Arf-GAP domain and FG repeat-containing protein 1	35.217772	S138;S142;S144;S147;S149;T151;T154;S162;S291;S292;S293;T298;T301;S302;S304;S309;S312;T351;S359;S362;S365;S367;S368;S370;S371;S385;T389;S391;T395;S396;S398;S401;S402;T407;S421;S446;T448;S481;S489	S167;T177;S181;S362	32119511;34725712;35132862;23301498;21740066;30059200;35289036;33214551;29237092;29351928;30379171;34019948;35254053;20305658;37340703;28686627;29485866;28657654;35138101;28604694;30620550;31492838;32574038	MAASAKRKQEEKHLKMLRDMTGLP HNRKCFDCDQRGPTYVNMVGSFV CTSCSGSLRGLNPPHRVKSISMFTFT QQEIEFLQKHGNEVCKQIWLGLFDD RSSAIPDFRDPQKVKEFLQEKYEKKR WYVPPEQAKVVASVHASISGSSASST SSTPEVKPLKSLLGDSAPTLHLNKGT PSQSPVVGRSQGQQEKKQFDLLSD LGSDIFAAPAPQSTATANFANFAHF NSHAAQNSANADFANFDFAGQSSG SSNFGGFPTASHSPFQPQTGGSA SVNANFAHFDNFPKSSADFGTFNT SQSHQTASAVSKVSTNKAGLQTADK YAALANLDNIFSAAGQGGDQSGFGT TGKAPVGSVVSQSSASSDKYAAL AELDSVFSSAATSSNAYTSTSNASSN VFGTVPVVASAQTQPASSVPPAFGA TPSTNPFVAAAGPSVASSTNPFQTN ARGATAATFGTASMSMPTGFGTPAP YSLPTSFSGSFQQAFFPAQAAPFQQT AFSQQPNGAGFAAFGQTKPVVTPFG QVAAAGVSSNPFMTGAPTGFPTGS SSTNPFL