	UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence	intracellular	extracellular	cytosol	nucleus	mitochndrion	endoplasr reticulum
0	P52594	AGFG1_HUMAN	Homo sapiens	Arf-GAP domain and FG repeat-containing protein 1	34.057564	S138;S142;S144;S147;S149;T151;T154;S162;S291;S292;S293;T298;T301;S302;S304;S309;S312;T351;S359;S362;S365;S367;S368;S370;S371;S385;T389;S391;T395;S396;S398;S401;S402;T407;S421;S446;T448;S481;S489	S167;T177;S181;S362	34725712;38665916;23301498;33214551;30379171;39302247;28657654;39531497;32574038;39534244;35254053;31492838;40307207;30620550;32119511;21740066;28604694;34019948;29237092;35132862;40596516;37340703;28686627;29485866;35289036;30059200;20305658;35138101;29351928	MAASAKRKQEEKHLKMLRDMTGLPHNRKCFDCDQRGPTYVNMTVGSFVCTSCSGSLRGLNPPHRVKSISMTTFTQQEIEFLQKHGNEVCKQIWLGLFDDRSSAIPDFRDPQKVKEFLQEKYEKKRWYVPPEQAKVVASVHASISGSSASSTSSTPEVKPLKSLLGDSAPTLHLNKGTPSQSPVVGRSQGQQQEKKQFDLLSDLGSDIFAAPAPQSTATANFANFAHFNSHAAQNSANADFANFDAFGQSSGSSNFGGFPTASHSPFQPQTTGGSAASVNANFAHFDNFPKSSSADFGTFNTSQSHQTASAVSKVSTNKAGLQTADKYAALANLDNIFSAGQGGDQGSGFGTTGKAPVGSVVSVPSQSSASSDKYAALAELDSVFSSAATSSNAYTSTSNASSNVFGTVPVVASAQTQPASSSVPAPFGATPSTNPFVAAAGPSVASSTNPFQTNARGATAATFGTASMSMPTGFGTPAPYSLPTSFSGSFQQPAFPAQAAFPQQTAFSQQPNGAGFAAFGQTKPVVTPFGQVAAAGVSSNPFMTGAPTGQFPTGSSSTNPFL	True	False	4.3	4.478	False	False