

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence	intracellular	extracellular	cytosol	nucleus	mitochondrion	endoretic
Q15750	TAB1_HUMAN	Homo sapiens	TGF-beta-activated kinase 1 and MAP3K7-binding protein 1	69.288029	S46;S52;S163;S391;S395;S396;S399;T400;S401;T403;T406;S423;T450;T502	S7;S378;S423;T431;S438;T442	28657654;31492838;28686627;32092778;23301498;28346405;33103664;24256146;34019948;37340703;29485866;34725712;32574038;36240223;28609614;22365600;23103942;35254053;37334838;29237092;33709700;29351928;32510947;37856504;35138101;30620550;30059200;20863279;18818698;30379171;22307082;34764280;28604694;22661428;35132862;33214551;36032089;27935279;35289036;32119511;22311971;38665916	MAAQRRLQSEQQPSWTDLPLCHLSGVGSASNRYSADKGTESHPPEDSWLKFRSENNCFLYGVFNGYDGNRVTNFVAQRLSAELLGQLNAEHA EADVRRVLLQAFDIVERSFLESIDDA LAEKASLQSQLPEGVPQHQLPPQYQ KILERLKTLEISGGAMAVVAVLLN NKLYVANVGTNRALLCKSTVDGLQV TQLNVDHTTENEDLFRLSQLGLDA GKIKQVGIICGQESTRRIGDYKVKYG YTDIDLLSAAKSKPIIAEPEIHGAQPL DGVTFGLVLMSEGLYKALEAAHGPG QANQEIAAMIDTEFAKOTSLDAVAQ AVVDRVKRIHSDTFASGGERARFCP RHEDMTLLVRNFGYPLGEMSQPTP SPAPAAGGRVYPVSPYSSAQSTSST SVTSLVMPSQGMVNGAHSASTL DEATPTLTNQSPILTTLQSTNTHIQSS SSSSDGGLFRSRPAHSLPPGEDGRV EPYVDFAEFYRLWSVDHGEQSVVTA P	True	True	4.816	4.852	2.282	5.0