

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence	intracellular	extracellular	cytosol	nucleus	mitochondrion	end reti
Q15942	ZYX_HUMAN	Homo sapiens	Zyxin	25.034329	S7;S11;S13;S15;S169;S170;T179;S182;S183;T220;S240;T242;S246;T250;S258;S259;S267;S278	S116;S142;S143;S169;S170;T179;S259;S267;T270;T274;S281;S288;S308;S344	28657654;31492838;35227760;32870666;23301498;37340703;34019948;34725712;37217939;32574038;35254053;29237092;28510447;29351928;31373491;35138101;30620550;30059200;30379171;31637018;35132862;33214551;27655845;35289036;32119511;38665916	MAAPRPSPAISVSVSAPAFYAPQKFGPVVAPKPKVNPFRPGDSEPPAPFAGRAQMGRVGEIPPPPEDFPLPPPLAGDGDDAEGALGGAFPPPPPIEESFPPAPLEEEIFPSPPPEEGGPEAPIPPPPPREKVSIDLEISLSLLDDMTKNDPFKARVSSGYVPPVATPFSKSSTKPAAGGTAPLPPWKSPPSSQPLPQVPAPAQSQTQFHVQPQPKPQVQLHVQSQTQPVSLANTQPRGPPASPAAPAPKFSVTPKFTPVASKFSPGAPGSGSQPNQKLGHPALSGFTGSPQPPSFTYAQQREKPRVQEKQHPVPPPAQNQNQVRSPGAPGPLTLKHEVEELQLTQQLMQDMEHPQRQNVAVNELCGRCHOPLARAQPAVRALGQLFHIACFTCHQCAQQLQGQFYSLEGAPYCEGCYTDLTLEKNTCGEPITDRMLRATGKAYHPHCFTCVVCARPLEGTSFIVDQANRPHCVDPYHKQYAPRCVCSFEPIMPEPGRDETVRVVALDKNFHMKCYKCEDCGKPLSIEADDNGCFPLDGHVLCRKCHTARAQT	True	True	4.786	5.0	1.617	1.6