

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnaicscore	oglcnaic sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence
Q5T6F2	UBAP2_HUMAN	Homo sapiens	Ubiquitin-associated protein 2	47.507758	S20;S277;S303;S306;S310;S314;T372;S373;S384;T389;T390;T391;S393;T394;S398;T399;S400;T404;T405;S407;T414;S415;S417;S418;S421;S427;S446;T450;S485;T486;T487;S492;S494;S552;S565;S630;S633;S634;S635;S637;T641;S737;S776;S987;S988;S994;S1004;S1006;S1007;S1008;T1009;T1010;T1016;S1095;S1104;S1114;T1118	S432;S439;S473;S630	29237092;21740066;34725712;28604694;38665916;37340703;30379171;34019948;29351928;30397120;30620550;22661428;35132862;35254053;20305658;31492838;28510447;35289036;28314751;32870666;33214551;30059200;31373491;28657654;23301498;27114449;22121020;32574038;29249144;35138101	MMTSVSSSDHCRGAREKPKQISAAQST QPQKQVVQATAEQMRLAQVIFDKN DSDFEAKVKQLMEVTKGNQDECIVA LHDCNGDVNKAINILLEGNSDITTSW ETVCGCKKNFAKENSENKENREKK SEKESRGRGNNNRKGKRGNGRGRE FRGEENGIDCNQVDKPSDRGKRAR GRGFRGRGRGAGRFSTQGMGTFN PADYSDSTSTDVCGTKLVVWEAAQN GADEGTELASNTHNIAQDLSNKSSY GLKGAWKNSVEEWTTEDWTEDLSE TKVFTASSAPAENHILPGQSIDLVAL LQKPVPHSQASEANSFETSQQQFG QALVFTNSQHNQMAPGTGSSSTAV NSCSPQSLSSVLGSGFGEAPPKMA NITSSQILDQLKAPSLGQFTTTPSTQ QNSTSHPTTTTWDLKPPTSQSSVL SHLDFKSQPEPSPVLSQLSQRQQHQ SQAVTVPPPGLESFSPQAKLRETPG DSPSTVNKLLQLPSTTIENISVSVHQ PQPKHIKLAARRIPPASKIPASAVEM PGSADVTGLNVQFGALEFGSEPSLS EFGSAPSENSNQIPISLYSKLSEPL NTLSMSTSAVQNSTYTTTSTVITSCSLT SSSLNSASPVAMSSSYDQSSVHNRI PYQSPVSSSESAPGTIMNGHGGRS QQLDTPKTTGPPSALPSVSSLPSTT SCTALLPSTSQHTGDLTSSPLSQLSS SLSSHQSSLSAHAALSSSTSHTHAS VESASSHQSSATFSTAATSVSSSASS GASLSSSMNTANSLCLGGTPASASS SSSRAAPLVTSGKAPPNLPQGVPLL HNQYLVGPGGLLPAYPIYGYDELQM LQSRLPVDYYGIPFAAPTALASRDGS LANNPYPGDVTKFGRGDSASPAPAT TPAQPQQSQSQTHHTAQPPFVNPAL PPGYSYTGPLYTGMPSAFQYGPTM FVPPASAKQHGVNLSPTPPFQAS GYGQHGYSTGYDDLQGTAAAGDYK GGYAGSSQAPNKSAGSGPGKGVSVS SSTTGLPDMTGSVYNKTQTFDKQGF HAGTPPPFSLPSVLGSTGPLASGAAP GYAPPPFLHILPAHQPPHSQLLHHH LPQDAQSGSQRSQPSSLQPKSQAS KPAYGNSPYWTN