

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence	intracellular	extracellular	cytosol	nucleus	mitochondrion	endoplasmic reticulum
Q6MZP7	LIN54_HUMAN	Homo sapiens	Protein lin-54 homolog	36.217421	T106;T109;S111;T168;T204;S207;T235;T237;S238;T243;S253;T257;T260;T261;S274;S276;T277;T280;S282;T284;T286;S288;S290;S295;T296;T301;S321;T322;S332;T333;T338;T344;T367;S368;S371;T397;T423;T428;T429;S430	S264;S282;S310;S314;S635	35132862;30379171;35289036;32574038;30059200;41350704;39302247;28657654;40307207;23301498;38665916;20068230;37217939;35254053;29249144;33214551;40596516;34019948;31492838;29237092;30620550;39534244;37340703;20305658;35138101;34846842;21158410;29351928;39531497;21740066;34725712;32119511;27114449	MEVVPAAEVNSLLPEIMDTGITLVD DDSIEAVIVSSPIPMETELEEIVNINS TGDSTATPISTEPITVYSNHTNQAV NTTTKADSNTTVKPAFPGSLQKLG QTPVTISANQIILNKVQSSTDLKLG QTLKPDGQKLLITTLGKSGSPIVLALP HSQLPQAQKVTQAQSGDAKLPPQQ IKVVTIGGRPEVKPVIGVSALTPGSQ INITTPSVLQTLQKTVQIAKKPRT PTSGPVITKLIFAKPINSKAVTGGTTQ VSPPVIAGRVLSQSTPGTPSKTITISE SGVIGSTLNSSTQTPNKIAISPLKSPN KAVKSTVQITIVGGVSTSQFKTIPLA TAPNVQIQVPGSKFHYVRLVATSA SSSTQPVSONPSTNTQPLQQAQKPVV VNTTPVRMSVPIVSAQAVKQVVPKPI NPTSQIVTTSQPQORLIMPATPLPQI QPNLTNLPPGTVLAPAPGTGNVGYA VLPAAQYVTLQSSYVSIASNSTFTG TSGIQTQARLPFNIGIIPSESASRPRKP CNCTKSLCLKLYCDFANGFCNN CNCTNRYNLEHENRQKAIKACL DRNPEAFKPKIGKGESEDRRHSK GCNCKRSGCLKNYCECYEAKIMCSS ICKCIGCKNFEESPERKTLMLLADA AEVRVQQGTAAKTLSSQISDLLTRP TPALNSGGKLPFTFVTKEVAEATC NCLLAQAEQADKKGKSKAAERML EEFGRCLMSVINSAGKAKSDPCAM NC	True	False	2.913	4.584	0.833	0.568