	UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence	intracellular	extracellular	cytosol	nucleus	mitochndrio
0	Q7Z2W4	ZCCHV_HUMAN	Homo sapiens	Zinc finger CCCH-type antiviral protein 1	8.59756	T316;T321;S322;T326;S361;S387;T669;S673	S257;S263;S267;S271;T273;S275;S284;S302;S327;S335;S355;S378;S387;T393;S407;S469;S492;S494;T554;S590;S572	34725712;38665916;23301498;33214551;30379171;39531497;38253038;35254053;28314751;34229054;31492838;40307207;32119511;34019948;27655845;35132862;40596516;28510447;35138101;29351928	MADPEVCCFITKILCAHGGRMALDALLQEIALSEPQLCEVLQVAGPDRFVVLETGGEAGITRSVVATTRARVCRRKYCQRPCDNLHLCKLNLLGRCNYSQSERNLCKYSHEVLSEENFKVLKNHELSGLNKEELAVLLLQSDPFFMPEICKSYKGEGRQQICNQQPPCSRLHICDHFTRGNCRFPNCLRSHNLMDRKVLAIMREHGLNPDVVQNIQDICNSKHMQKNPPGPRAPSSHRRNMAYRARSKSRDRFFQGSQEFLASASASAERSCTPSPDQISHRASLEDAPVDDLTRKFTYLGSQDRARPPSGSSKATDLGGTSQAGTSQRFLENGSQEDLLHGNPGSTYLASNSTSAPNWKSLTSWTNDQGARRKTVFSPTLPAARSSLGSLQTPEAVTTRKGTGLLSSDYRIINGKSGTQDIQPGPLFNNNADGVATDITSTRSLNYKSTSSGHREISSPRIQDAGPASRDVQATGRIADDADPRVALVNDSLSDVTSTTSSRVDDHDSEEICLDHLCKGCPLNGSCSKVHFHLPYRWQMLIGKTWTDFEHMETIEKGYCNPGIHLCSVGSYTINFRVMSCDSFPIRRLSTPSSVTKPANSVFTTKWIWYWKNESGTWIQYGEEKDKRKNSNVDSSYLESLYQSCPRGVVPFQAGSRNYELSFQGMIQTNIASKTQKDVIRRPTFVPQWYVQQMKRGPDHQPAKTSSVSLTATFRPQEDFCFLSSKKYKLSEIHHLHPEYVRVSEHFKASMKNFKIEKIKKIENSELLDKFTWKKSQMKEEGKLLFYATSRAYVESICSNNFDSFLHETHENKYGKGIYFAKDAIYSHKNCPYDAKNVVMFVAQVLVGKFTEGNITYTSPPPQFDSCVDTRSNPSVFVIFQKDQVYPQYVIEYTEDKACVIS	True	False	4.555	3.404	0.469