

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence
Q8IYB3	SRRM1_HUMAN	Homo sapiens	Serine/arginine repetitive matrix protein 1	16.556103	S452;S551;T555;S658;T670;S713;S717	T220;S227;S234;S240;T241;S260;S389;S391;S393;S402;T406;S414;T416;S420;S429;S431;S436;S450;S452;S463;S465;S478;S524;S526;S528;S530;S532;S549;S551;T555;S560;S562;T572;T574;T581;S583;T596;S597;S605;S607;T614;S616;S626;S628;S636;S638;S694;S695;S696;S705;S707;S713;S715;T718;S738;S740;S748;S752;S754;S756;S769;S773;S775;S777;T778;S781;S791;T793;S795;S797;S802;T872;S874;S901	34229054;34019948;37217939;28510447;35254053;31637018;29237092;23301498;29351928	MDAGFFRGTSAEQDNRFSNKQKLLKQLKFAECLKQVDMKVNLEVIK PWITKRVTEILGFEDDVVIEFIFNQLE VKNPDSKMMQINLTGFLNGKNARE FMGELWPLLLSAQENIAGIPSAFLEL KKEEIKQRQIEQEKLASMKKQDEDK DKRDKEEKESREKRERSRSPRRRK SRSPSPRRRSSPVRRERKRSRSHSRSP RHRTKSRSPSPAPEKKEKTPELPEPS VKVKEPSVQEATSTSDILKVPKPEPIP EPKEPSPEKNSKKEKEKTRPRSR SRSKSRSTRSRSPSHTRPRRRHRS RSRSYSPRRRPSRRRPSRRRTPPR RMPPPPRHRRSRSPVRRRRRSSASL SGSSSSSSSSRSRSPPKKPPKRTSSP PRKTRRLSPSASPPRRRHRPSPPATP PPKTRHSPTPQQSNRTRKSRVSVSP GRTSGKVTKHGTEKRESPPAPKP RKVELSESEEDKGGKMAAADSVQQ RRQYRRQNQQSSDSGSSSSSEDER PKRSHVKNGEVGRRRRHSPSRASAP SPRKRQKETS PRGRRRRSPSPPTRR RRSPSPAPPPRRRTPTPPRRRTPS PPPPRRSPSPRRYSPPIQRRYSPPPP KRRTASPPPPKRRASPSPPKRRVS HSPPPKQRSSPVTKRRSPSLSSKHR KGSPPSRSTREARSQPQNKRHSPSP RPRAPQTSSPPPVRRGASSSPQRR QSPSPSTRPIRRVSRTPPEPKKIKKAAS PSPQSVRRVSSRSVSGSPEPAAKKP PAPPSPVQSQSPSTNWSPAVPVKA KSPTSPSPPRNSDQEGGGKKKKKK KDKKKHKDKKKKKKKKKKKA AAAAAAVTPAAIAAATTTLAQEEPVA APEPKKETESEAEDNLDDLEKHLRE KALRSMRKAQVSPQS