

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence
Q8IYB3	SRRM1_HUMAN	Homo sapiens	Serine/arginine repetitive matrix protein 1	14.758101	S452;S551;T555;T670;S713;S717	T220;S227;S234;S240;T241;S260;S389;S391;S393;S402;T406;S414;T416;S420;S429;S431;S436;S450;S452;S463;S465;S478;S524;S526;S528;S530;S532;S549;S551;T555;S560;S562;T572;T574;T581;S583;T596;S597;S605;S607;T614;S616;S626;S628;S636;S638;S694;S695;S696;S705;S707;S713;S715;T718;S738;S740;S748;S752;S754;S756;S769;S773;S775;S777;T778;S781;S791;T793;S795;S797;S802;T872;S874;S901	31637018;34229054;29351928;29237092;34019948;23301498;28510447	MDAGFFRGTSAEQDNRFSNKQKLL LKQLKFAECLKQVDMKVNLEVIK PWITKRVTEILGFEDDVVIEFIFNQL VKNPDSKMMQINLTGFLNGKNARE FMGELWPLLLSAQENIAGIPSAFLEL KKEEIKRQIEQEKLASMKKQDEDK DKRDKEEKESREKRERSRSPRRRK SRSPSPRRRSSPVRERKRSHSRSP RHRTKSRSPSPAPEKKEKTPPELPEPS VKVKEPSEQEATSTSDILKVPKPEPIP EPKEPSPEKNSKKEKEKEKTRPRSR SRSKSRSTRSRSPSHTRPRRRHRS RSRSYSPRRRPSRRRPSRRRTTPPR RMPPPPRHRRSRSPVRRRRRSSASL SGSSSSSSSRSRSPPKPPKRTSSP PRKTRRLSPSASPPRRRHRPSPPATP PPKTRHSPTPQQSNRTRKSRVSVSP GRTSGKVTKHKGTEKRESPPAPKP RKVELSESEEDKGGKMAAADSVQQ RRQYRRQNQQSSSDSGSSSSSEDER PKRSHVKNGEVGRRRRHSPSRASAP SPRKRQKETSPRGRRRRSPSPPTRR RRSPSPAPPPRRRTPTPPRRRTPS PPRRRSPSPRRYSPPIQRRYSPSPPP KRRTASPPPPKRRASPPPKRRVS HSPPPKQRSSPVTKRRSPSLSSKHR KGSSPSRSTREARSPQPNKRHSPPSP RPRAPQTSSSPPVRRGASSPQRR QSPSPSTRPIRRVSRTPPEPKIKKAAS PSPQSVRRVSSRSVSGSPEPAAKKP PAPPSPVQSQSPSTNWSPAVPVKA KSPTSPSPPRNSDQEGGGKKKKK KDKKHKDKKKHKKKKKKKEKAVA AAAAAVTPAAIAAATTLAQEEPVA APEPKKETESEAEDNLDLEKHLRE KALRSMRKAQVSPQS

0