

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence
Q8N3V7	SYNPO_HUMAN	Homo sapiens	Synaptopodin	32.938547	S405;T406;T409;T410;T411;S412;T413;S415;S448;T560;T564;T566;S570	S140;S207;S263;S501;S525;T560;S580;S685;S702;T746;S754;S758;S779;T783;S833;S854;S738;S784;S804;S812;S826;S854;S871;S894	34725712;35254053;30059200;20068230;29237092;37340703;28657654;30620550;31492838;30379171	MLGPHLPPPPLAPSEGRPTPCAFQIP DGSYRCLALEAEESSGEEGLQGEVG PTDLEEDGVSRSRDDACRVTQGT PQLPKALGIQPPSCSREEQGASQHD DRASQDWDVVKAGQMMTASPSGP GPRVAQKPALGRSTSLTEKDLKEAK ARSQIAAQLTTPSSNSRGVQLFN RRRQRVNEFTLESHGQRGQKPSQE SLRVLPSLPGHAPGLSLSSTSLPEP GPPRHPSQSPDRGVPGHSMEGYSE EASLLRHLEKVAEEEEVPLVVYLKE NAALLTANGLHLSONREAQQSSPAP PPAEVHSPAADVQNLASPSATLTT PTSNSSHNPATDVNQNPPATVVPQ SLPLSSIQQNSSEALQPSNGTGPASK PSTLCADGQPQAPAEVRCSTLLIDK VSTPATTSTFSREATLIPSSRPPASD FMSSLLIDIQNTLVVSADQEMSG RAAATTPTKVYSEVHFTLAKPPSVVN RTARPFGIQAPGGTSQMERSPMLER RHFGEKAPAPQPPSLPDRSPRQRHI MSRSPMVERRMMGQRSPASERRPL GNFTAPPTYTETLSTAPLASWVRSPP SYSVLYPSSDPKSSHLKGQAVPASKT GILEESMARRGSRKSMFTFVEKPKV TPNPDLLDLVQTADKRRQRDQGEV GVVEEPPFALGAEASNFOQEPAPRDR ASPAAAEVVPWASCLKSPRIQAKP KPKPNQNLSEASGKGAELYARRQSR MEKYVIESSHTPELARCPSPMTSLP SSWKYPTNAPGAFRVASRSPARTPP ASLYHGYPENGVLRPEPTKQPPYQL RPSLFVLSPIKEPAKVSFRAASPAKPS SLDLVPNLPGALPPSPALPRPSRSS PGLYTSFGQDSLQPTAVSPPYGGDIS PVSPSRAWSPRAKQAPRPSFSTRNA GIEAQVWKPSFCFK