

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence
Q8N3X1	FBNP4_HUMAN	Homo sapiens	Formin-binding protein 4	27.083008	S676;S678;S682;S683;S685;T690;S764;T768;T794;S797;T798;S804;S809;S810;T821;T833;T839;S843	S18;S116;S124;T172;S427;S432;S435;S438;S442;S464;T479;S499;S508;T516;T517;S963;S964;S965	32119511;34725712;37217939;35132862;23301498;31373491;30059200;20068230;33214551;35289036;29351928;29237092;30379171;34019948;35254053;28657654;35138101;34846842;30620550;31492838;32574038	MGKKSRAVPGRRPILQLSPPGPRGS TPGRDPEPEPDTPEPDSTAAVPSQPAP SAATTTTTAVTAAAAASDDSPSEDEQE AVQEVPRVVQNPPKVMTRPTAVK ATGGLCLLGGAYADSDDDNDVSEKL AQSKETNGNQSTDDIDSTLANFLAEID AITAPQPAAPVGGASAPPTPPRPEPK EAATSTLSSSTSNGTDTSTQTSQGWQY DTQCSLAGVGIEMGDWQEVWDENT GCYYYWNTQTNEVTWELPQYLATQ VQGLQHYQPSSVPGAETSFVNTDIY SKEKTISVSSSKSGPVIKREVKKEV NEGIALSNSEEEKKGAASLLAPLL PEGIKEEEERWRRKVICKEEPVSEVK ETSTTVEEATTIVKQEIIMLDNIEDP SQEDLCSVVQSGESEEEEEQDTLEL ELVLERKKAELRALEEGDGSVSGSS PRSDISQPASQDGMRRRLMSKRGKW KMFVRATSPSTSRSSSKTGRDTPE NGETAIGAENSEKIDENSDKEMEVE ESPEKIKVQTPKVEEQDLKFQIGE LANTLTSKFEFLGINRQISINFHVLL LQTETRIADWREGALNGNYLKRKLQ DAAEQLKQYEINATPKGWSCHWDR DHRRYFYVNEQSGESQWEFPDGE EEEEQAQENRDETLAKQTLKDKTG TDSNSTESSETSTGSLCKESFSGQVS SSSLMPLTPFWTLLQSNVPVLQPPL PLEMPPPPPPPEPSPPPPPPPPPAE DGEIQEVEMEDEGSEPPAPGTEED TPLKPSAQTTVVTSQSSVDSTISSSS TKGIKRKATEISTAVVQRSATIGSSPV LYSQAIAATGHQAAGIGNQATGIGHQ TIPVSLPAAGMGHQARGMSLQSNYL GLAAAPAIMSYAECVPIGVTAPSLQ PVQARGAVPTATIIEPPIPPPPPPPP PPAPKMPPEKTKKGRKDKAKKSKT KMPSLVKKWQSIQRELDEEDNSSSS EEDRESTAQKRIEWWKQQLVSGM AERNANFEALPEDWRARLKRKMA PNT