

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence	intracellular	extracellular	cytosol	nucleus	mitochondrion
Q8N3X1	FNBP4_HUMAN	Homo sapiens	Formin-binding protein 4	29.719848	S285;T669;S676;S678;S682;S683;S685;T690;S764;T768;T794;S797;T798;S804;S809;S810;S817;T821;T833;T839;S843	S18;S116;S124;T172;S427;S432;S435;S438;S442;S464;T479;S499;S508;T516;T517;S963;S964;S965	34725712;38665916;23301498;33214551;30379171;31373491;28657654;39531497;32574038;39534244;35254053;31492838;40307207;20068230;30620550;32119511;34019948;29237092;35132862;34846842;37217939;35289036;30059200;35138101;29351928	MGKKSRAVPGRRPILQLSPPGPRGS TPGRDPEPEPDTTEPDSTAAPVSPQAP SAATTTTTAVTAAASDDSPSEDEQE AVQEVPRVVQNPVKPVMITRPTAVK ATGGLCLLGAYADSDDDDDNDVSEKL AQSKETNGNQSTDIDSTLANFLAEID AITAPQPAAPVGSASAPPTPPRPEPK EAATSTLSSSTSNGTDSQTQSGWQY DTOCSLAGVGIEMGDWQEVWDENT GCYYWNTQTNEVTWELPQYLATQ VQGLQHYQPSSVPGAETSFVNTDIY SKEKTISSVSSKSGPVIKREVKKEV NEGIQALSNSEEEKKGVAASLLAPLL PEGIKEEEERWRRKVICKEEPVSEVK ETSTTVEEATTIVKQEIIMLDNIEDP SQEDLCSVVQSGESEEEEEQDTLEL ELVLERKKAELRALEEGDGSVSGSS PRSDISQPASQDGMRRMSKRGKW KMFVRATSPESTSRSSSKTGRDTPE NGETAIGAENSEKIDENS DKEMEVE ESPEKIKVQTTPKVEEEDLKFQIGE LANTLTSKFEFLGINRQSSISNFHVL LQTETRIADWREGALNGNYLKRKLQ DAAEQLKQYEINATPKGWSCHWDR DHRRYFYVNEQSGESQWEFPDGE EEEEQAQENRDETLAKQTLKDKTG TDSNSTESSETSTGSLCKESFSGQVS SSSLMPLTFPWLLQSNVPVLQPP PLEMPPPPPPPPESP DGEIQEVEMEDEGSEPPAPGTEED TPLKPSAQTTVVTSQSSVDSTISSSS TKGIKRKATEISTAVVQRSATIGSSPV LYSQSAIATGHQAAGIGNQATGIGHQ TIPVSLPAAGMGHQARGMSLQSNYL GLAAAPAIMSYAECVPIGVTAPSLQ PVQARGAVPTATIIEP PPAPKMPPPEKTKKGRKDKAKKSKT KMPSLVKKWQSIQRELD EEDNSSSS EEDRESTAQKRIE EWKQQQLVSGM AERNANFEALPEDWRARLKRKMA PNT	True	False	0.188	4.722	0.188