

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence	intracellular	extracellular	cytosol	nucleus	mitochnc
Q8NDX5	PHC3_HUMAN	Homo sapiens	Polyhomeotic-like protein 3	41.54008	S37;S40;S42;S59;S60;T125;S126;S142;S145;S146;S151;T153;T156;S236;T237;S238;T240;S242;T244;T250;T253;S254;S279;T283;S645;T673;T674;S721;S744	S263;S272;S315;T609;T614;S616;S761;S762	31637018;35132862;35254053;28604694;34846842;23301498;34019948;29237092;29485866;30059200;32574038;20068230;30379171;37340703;38665916;20305658;30620550;39534244;35289036;39302247;29351928;27655845;39531497;31492838;27114449;28411811;33214551	MDTEPNPGTSSVSTTTTSSTTTTTTIT SSSRMQQPQISVYSGSDRHAVQVIQ QALHRPPSSAAQYLQQMYAAQQQH LMLHTAALQQQHLSSQLQSLAAVQ ASLSSGRPSTSPITGSVTQSSMSQT SINLSTSPITPAQLISRSQASSTSGSI TQQTMLLGSTSPILTASQAQMYLRA QMLIFTATTVAAVQSDIPVVSSSS SSCQSAATQVQNLTLRSQKLGVLSS SQNGPPKSTSQTLTICHNKTTVTS SKISQRDPSPESNKKGESPSLESRST AVTRTSSIHQLIAPASYSPIQPHSLIK HQQIPLHSPPSKVSHHQLILQQQQQ QIQPITLQNSTQDPPPSQHCPIQLNH GLPPAPSNAQSQHCSPIQSHPSPLTV SPNQSQAQQSVVSPPPHSPSQS PTIIHPQALIQPHPLVSSALQPGPNL QQSTANQVQATAQLNLPSHLPLPAS PVVHIGPVQQSALVSPGQVIVSPSHQ QYSSLQSSPIASPPQMSTSPPAQIP PLPLQSMQSLQVQPEILSQGOVLVQ NALVSEEEELPAEALVOLPFQTLPPP QTVAVNLQVQPPAPVDPPVVYQVED VCEEEMPEESDECVRMDRTPPPPTL SPAAITVGRGEDLTSEHPLEQVELP AVASVSASVIKSPSDPSHVSVPPPLL LPAATTRSNSTSMHSSIPSIEKPPQ AIVKQILTHVIEGFVIEGLEFPFVS RSSLLIEQPVKKRPLLDNQVINSVCV QPELQNNTKHADNSSDTEMEDMIA EETLEEMDSELLKCEFCGKMGYAN EFLRSKRFTMSCAKRYNVSCSKF ALSRWNRKPDNQSLGHRGRRPSGP DGAAREHILRQLPITYPSAEEDLASH EDSVPSAMTTRLRQSERERERELR DVRIRKMPENDLLPVAQTEPSIWT VDDVWAFIHS LPGQDIADEFRAQEI DGQALLLLEDHLM SAMNIKLG PAL KICARINSLKES	True	False	2.971	5.0	2.153