

| UniprotKB ID | Entry name | organism | full name | oglcnacscore | oglcnac sites | phosphorylation sites | PMIDS | sequence |
|--------------|-------------|--------------|---|--------------|------------------------------------|---|---|---|
| Q9NYF8 | BCLF1_HUMAN | Homo sapiens | Bcl-2-associated transcription factor 1 | 10.520144 | S119;S268;T333;T489;T494;S502;T825 | S102;S104;S177;S181;S196;S198;T219;S222;S259;S262;S264;S268;T84;S285;S290;S297;S300;S315;T341;T355;T383;S385;S389;S397;T402;S422;S427;T431;S450;S472;T494;S496;S502;S512;S525;S531;S559;S564;T566;S578;S648;S658;S660;T661;S690;S760;S339 | 34019948;21740066;28510447;33465208;34229054;35254053;23301498;30444036;30379171;33214551 | MGRSNSRSHSSRSKRSRSQSSRSRSR RSHSRKKRYSSRSRRTYRSRSRSD RMYSRDYRRDYRNNRGMRRPYGYR GRGRGYQGGGGRYHRRGGYRPVWN RRHSRSPRRGRSRSPKRRSVSSQ RSRSPRRSYRSPRSPSSSRSSSP YSKSPVSKRRGSQEKQTKKAEGEPQ EESPLKSKSQEEPKDTFEHDPSESID EFNKSSATSGDIWPLSAYDNSPRS PHSPSPPIATPPSQSSCSADAPMLSTV HSAKNTPSQHSHSIQHSRSPERSGSGS VGNSSRYSFSPQNSPIHHIPSRSPA KTIAPQNAPRDESRGRSSFFYPDGGD QETAKTGKFLKRFTDEESRVFLDR GNTRDKEASKEKGSEKRAEGEWE DQEALDYFSDKESGKQKFNDFEGD DTEETEDYRQFRKSVLADQKSFAT ASHRNTEEEGLKYKSKVSLKGNRES DGFREEKNYKLVKQKQVVERPSTTK DKHKEEDKNSERITVKKETQSPEQV KSEKLDLFDYSPPLHKNLDAREKS TFREESPLRIKMIASDSHRPEVKLKM APVPLDDSNRPASLTKDRLLASTLVH SVKKEQEFRSIFDHIKLPQASKSTSE SFIQHIVSLVHHVKEQYFKSAAMTL NERFTSYQKATEEHSTRQKSPEIHR RIDISPLRKHTRLAGEERVFKEN QKGDKCLRCDADLRHDIDRRRKR SKERGDSKGSRESSGSRKQEKTPKD YKEYKSYKDDSKHKREQDHSRSSSS SASPSSPSSREEKESKEREKEREKTH HEMKEYSGFAGVSRPRGTFFRIRGR GRARGVFAGTNTGPNNSTTFQKR PKEEWDPEYTPKSKYFLHDDRDD GVVYWAKRGRGRGTFQRGRGRFNF KKSGLSPKWTDKYQGDGIVEDEEE TMENNEEKDRRKEEKE |

0