

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence
Q9UQ35	SRRM2_HUMAN	Homo sapiens	Serine/arginine repetitive matrix protein 2	28.057923	T111;T119;S516;S536;S957;S1791;S1798;S1911;T1974;S2084;T2170;S2171;S2236;S2244;S2259;T2275;T2302;S2310;S2327;T2329;S2335;S2343;S2355;T2357;T2367;S2368;S2376;T2381;S2382;S2388;S2407;S2456;S2459;S2690	T145;S220;S222;T286;S295;S297;S300;S322;S323;S351;S353;S357;S358;T359;T367;S377;T383;T384;S387;S395;S398;S404;S408;S424;S435;S436;S437;S440;S454;S484;S486;S506;S508;S510;S534;S536;S543;S702;S704;S706;S778;S780;S783;S846;S854;T856;S857;S864;T866;S871;S875;S876;S908;S935;S950;S952;S954;S957;S968;S970;S972;S973;S974;T977;T983;S992;S994;T996;T1003;S1010;S1014;S1024;S1028;S1032;S1042;T1043;T1049;S1064;S1069;S1072;S1073;S1083;S1099;S1101;S1102;S1103;T1106;S1112;S1122;S1124;S1129;S1132;S1152;S1179;S1188;S1198;T1208;S1214;S1219;S1227;S1254;S1257;S1258;S1266;S1270;S1271;S1311;S1318;S1320;S1326;S1329;S1336;S1348;S1368;S1382;S1383;S1384;S1387;S1401;S1403;S1404;T1413;S1415;S1421;S1423;S1424;T1434;S1444;S1451;T1453;S1458;S1460;S1462;S1463;T1472;S1482;S1483;T1492;S1497;S1499;S1501;S1502;T1511;S1517;S1519;S1521;S1522;T1531;S1537;S1539;S1541;S1542;S1552;S1577;S1579;S1581;S1582;S1598;S1600;S1601;S1616;S1620;S1621;S1648;S1658;S1691;S1693;S1694;T1698;S1727;S1729;S1731;S1732;S1762;S1764;S1818;S1822;S1854;S1857;S1876;S1878;T1880;S1884;S1890;T1892;S1893;S1916;S1919;S1923;S1925;T1927;T1931;S1946;S1948;T1950;T1954;S1958;S1960;T1962;T1966;S1970;S1972;S1975;T1978;S1984;S1987;S1996;S1999;S2008;S2011;S2018;S2020;T2022;S2030;S2032;T2034;S2042;S2044;S2046;S2067;T2069;S2071;S2090;T2092;S2100;S2102;T2104;S2118;S2121;S2123;S2132;T2144;S2272;T2289;T2291;T2302;S2310;T2316;T2329;S2335;S2343;S2368;S2376;T2381;S2382;S2394;S2398;S2407;T2409;S2412;S2415;S2426;S2429;S2449;S2453;S2581;T2583;T2599;S2664;S2675;S2677;S2684;S2688;S2690;S2692;S2694;S2702;S2706;T2738;S2740	26853435;36580660;31373491;37340703;38253038;35138101;30059200;35289036;34229054;33214551;28657654;32574038;29351928;20068230;37217939;34019948;34846842;35254053;30379171;29237092;34725712;35132862;30620550;31492838;32119511;27655845;23301498	MYNGIGLPTPRGSGTNGYVQRNLSLVRGRRGERPDYKGEELRRLEAALV KRPNPDILDHERKRRRVELRCLLEEFMMEEQGYEEQQIQEKVATFRLMLLEKDVNPGGKEETPGQRPVAVTETHQLAELNEKKNERLRAAFGISDSYVDGSSFDPPQRRAREAKQPAPEPPKPYSLVRESSSSRPTPKQKKKKKKKDRGRRS ESSSPRRERKSSKKKKHRSESESK KRKHRSPTPKSKRKSCKDKKRRRSRSTTPAPKSRRAHRSTSADSASSSDTSR SRSRSAAAKTHTTALAGRSPSPASGR RGEGDAPFSEPGTTSTQRPSSETAT KQPSSPYEDKDKDKKEKSATRPSPS PERSSTGPEPPAPTPLLAERHGGSPQ PLATTPLSQEPVNPPEASPTRDRSP PKSPEKLPQSSSESSPPSQPTKVS RHASSSPESPKPAPAPGSHREISSP TSKNRSHGRAKRDKSHSHTPSRRM GRSRSPATAKRGSRSRRTPTKRGH SRSRSPQWRRSRAQRWGRSRSPQR RGRSRSPQRPGWRSRNTORRGRS RSARRGRSHSRPATRGRSRRTPA RRGRSRSRTPARRRSRRTPTRRRS RSRTPARRGRSRRTPTARRSRTRSP VRRRSRSPARRSGRSRRTPAARR GRSRSRTPARRGRSRRTPAARRSGR SRSRTPARRGRSRRTPRRGRSRSR SLVRRGRSHSRTPQRRGRSGSSSER KNKSRTSQRRSRNSPPEMKKSRIS RRRSRSLSSPRSKAKSRLSLRRSLSG SSPCPKQKQSTPPRRSRSGSSQPKA KSRTPPRRSRSSSSPPPKQKSKTPSR QSHSSSSPHPKVKVSGTTPRQGSITSP QANEQSVTPQRRSCFESSPDPPELKS RTPSRHSCSGSSPPRVKSSTPPRQSP RRSSSPQPKVTKAISPRQRSHSGSSS PPSRVRTSRITTPRRSRSVSPCSNVES RLLPRYSHSGSSSPDTKVKPETPPRQ SHSGSISPYPKVKAQTPPGPSLGSCK SPCPQEKSKDQSLVQSCPGSLSLCAG VKSSTPPGESYFGVSSLQLKGQSQTS PDHRSDTSSPEVRQSHSESPSLQSK SQTSPKGGRSRSSSPVTELASRSPIR QDRGEFSASPMKLSGMSPEQSRFQ SDSSSYPTVDSNLLGQSRLETAESK EKMALPPQEDATASPPRQKDKFSPF PVQDRPESSLVFKDTLRTPPRERSGA GSSPETKEQNSALPTSSQDEELMEV VEKSEEPAGQILSHLSSSELKEMSTS NFESSPEVEERPAVSLTLDQSQQA SLEAVEVPSMASSWGGPHFSPEHKE LNSPLRENSFGSPLEFRNSGPLGT EMNTGFSSSEVKEDLNGPFLNQLET DPSLDMKEQSTRSSGHSSSELSPDA VEKAGMSSNQSISSPVLDVAVRTPS RERSSASSPPEMKDGLPRTPSRRSR SGSSPGLRDGSGTSPSRHSLSGSSFG MKDIPRTPSRGRSECDSSPEPKALP QTPRPRSRSPSSPELNNKCLTPQRE RSGSESSVDQKTAVRTPLGQRSRSG SSQELDVKPSASPQRSESDSSPDS KAKTRTPLRQRSRSGSSPEVDSKSR LSPRRSRSGSSPEVKDKPRAAPRAQS

GSDSSPEPKAPAPRALPRRSRSGSSS
KGRGSPPEGSSSTESSPEHPPKSRTA
RRGSRSSPEPKTKSRTPPRRRSSRSS
PELTRKARLRRRSRSASSSPETRSRT
PPRHRSPSVSSPEPAEKSRSSRRRR
SASSPRTKTTSSRGRSPSPKPRGLQR
SRRSRREKTRTRRRDRSGSSQST
SRRRQRSSRSRVTRRRRGGSGYHS
RSPARQESSRTSSRRRRGRSRTPPTS
RKRSRRTSPAPWKRSRSPATH
RRRSRRTPLISRRRSRRTSPVSRRR
SRRTSVTRRRRSRSPVSRRRRSR
RTPPVTRRRRSRRTPTTRRRSRRT
PVTRRRSRRTPPVTRRRSRRTSPI
TRRRSRRTSPVTRRRSRRTSPVTR
RRRSRRTSPVTRRRSRRTPPAIRRR
RSRTPLLPRKRSRSPLAIRRRSR
SRTPTARGKSLTRSPPAIRRRSAS
GSSDRSRATPPATRNHSGSRTPP
VALNSSRMSCFSRPSMSPPLDRCR
SPGMLEPLGSSRTPMSVLQQAGGS
MMDGPGPRIPDHQRTSVPENHAQS
RIALALTAISLGTARPPPSMSAAGLA
ARMSQVPAPVPLMSLRTAPANLAS
RIPAAASAAAMNLSARTPAIPTAVNL
ADSRTPAAAAMNLSAPRTAVAPSA
VNLADPRTPTAPAVNLAGARTPAAL
AALSLTGSGTPPTAANYPSSRTPQA
PASANLVGPRSAHATAPVNIAGSRTA
AALAPASLTSARMAPALSGANLTSR
VPLSAYERVSGRTSPLLDRARSRT
PSAPSQSRMTSERAPSPSSRMGQAP
QSLLPPAQDQPRSPVPSAFSDQSR
CLIAQTPVAGSQSLSSGAVATTTSS
AGDHNGMLSVPAQVPHSDVGEPP
ASTGAQQPSALALQPAKERRSSSSS
SSSSSSSSSSSSSSSSSSSSSSSSS
EGSSLPVQPEVALKRVSPPTAPKEA
VREGRPPEPTPAKRKRSSSSSSSS
SSSSSSSSSSSSSSSSSSSSSSSS
SSSSSSPSPAKPGPQALPKPASPKK
PPGERRSRSPRKPIDSLRDSRSLSYS
PVERRRSPQPSPRDQSSSSSERGS
RRGQRGDSRSPSHKRRRETPSPRPM
RHRSSRSP