

UniprotKB ID	Entry name	organism	full name	oglcnacscore	oglcnac sites	phosphorylation sites	PMIDS	sequence
Q9UQ35	SRRM2_HUMAN	Homo sapiens	Serine/arginine repetitive matrix protein 2	42.7356	T119;S516;S957;S1791;S1798;S1911;T1974;S2084;T2170;S2171;S2236;S2244;S2335;S2343;S2355;T2367;S2376;T2381;S2388;S2407;S2459;S2690	T145;S220;S222;T286;S295;S297;S300;S322;S323;S351;S353;S357;S358;T359;T367;S377;T383;T384;S387;S395;S398;S404;S408;S424;S435;S436;S437;S440;S454;S484;S486;S506;S508;S510;S534;S536;S543;S702;S704;S706;S778;S780;S783;S846;S854;T856;S857;S864;T866;S871;S875;S876;S908;S935;S950;S952;S954;S957;S968;S970;S972;S973;S974;T977;T983;S992;S994;T996;T1003;S1010;S1014;S1024;S1028;S1032;S1042;T1043;T1049;S1064;S1069;S1072;S1073;S1083;S1099;S1101;S1102;S1103;T1106;S1112;S1122;S1124;S1129;S1132;S1152;S1179;S1188;S1198;T1208;S1214;S1219;S1227;S1254;S1257;S1258;S1266;S1270;S1271;S1311;S1318;S1320;S1326;S1329;S1336;S1348;S1368;S1382;S1383;S1384;S1387;S1401;S1403;S1404;T1413;S1415;S1421;S1423;S1424;T1434;S1444;S1451;T1453;S1458;S1460;S1462;S1463;T1472;S1482;S1483;T1492;S1497;S1499;S1501;S1502;T1511;S1517;S1519;S1521;S1522;T1531;S1537;S1539;S1541;S1542;S1552;S1577;S1579;S1581;S1582;S1598;S1600;S1601;S1616;S1620;S1621;S1648;S1658;S1691;S1693;S1694;T1698;S1727;S1729;S1731;S1732;S1762;S1764;S1818;S1822;S1854;S1857;S1876;S1878;T1880;S1884;S1890;T1892;S1893;S1916;S1919;S1923;S1925;T1927;T1931;S1946;S1948;T1950;T1954;S1958;S1960;T1962;T1966;S1970;S1972;S1975;T1978;S1984;S1987;S1996;S1999;S2008;S2011;S2018;S2020;T2022;S2030;S2032;T2034;S2042;S2044;S2046;S2067;T2069;S2071;S2090;T2092;S2100;S2102;T2104;S2118;S2121;S2123;S2132;T2144;S2272;T2289;T2291;T2302;S2310;T2316;T2329;S2335;S2343;S2368;S2376;T2381;S2382;S2394;S2398;S2407;T2409;S2412;S2415;S2426;S2429;S2449;S2453;S2581;T2583;T2599;S2664;S2675;S2677;S2684;S2688;S2690;S2692;S2694;S2702;S2706;T2738;S2740	3626323;30379171;33214551;30059200;27655845;31492838;32119511;34229054;20068230;28657654;32574038;29351928;31373491;29237092;34019948;26853435;30620550;23301498	MYNGIGLPTPRGSGTNGYVQRNLSLVRGRRRGPDYKGEELRRLEAALV KRPNPDILDHERKRRVRLCLELEE MMEEQGYEEQIQEKVATFRLMLL EKDVNPGGKEETPGQRPVAVTETHQL AELNEKKNERLRAAFGISDSYVDGS SFDPPQRRAREAKQPAPEPPKPYSLVR ESSSSSRPTPKQKKKKKKKDRGRRS ESSSPRRERKSSKKKKHRSSESESK KRKHRSPTPKSKRKSCKDKKRKRSRS TTPAPKSRRAHRSTSADSASSSDTSR SRSRSAAAKTHTTALAGRSPSPASGR RGEGDAPFSEPGTTSTQRPSSETAT KQPSSPYEDKDKKKEKSATRPSPS PERSSTGPEPPAPTLLAERHGGSPQ PLATTPLSQEPVNPPEASPTRDRSP PKSPEKLPQSSSESSPPSQPTKVS RHASSSPESPKPAPAGSHREISSP TSKNRSHGRAKRDKSHSHTPSRRM GRRSRSPATAKRGRSRRTPTKRGH SRSRSPQWRRSRAQRWGRSRSPQR RGRSRSPQRPGWRSRNTORRGRS RSARRGRSHSRPATRGRSRRTPA RRGSRSRRTPARRRSRRTPTRRRS RSRTPARRGRSRRTPARRRSRTRSP VRRRSRSPARRSGRSRRTPARR GRSRSRTPARRGRSRRTPARRSGR SRSRTPARRGRSRRTPRRGRSRSR SLVRRGRSHSRTPQRRGRSGSSSER KNKSRTSQRRSRNSPPEMKKSRIS RRRSRSLSSPRSKAKSRLSLRRSLSG SSPCPKQKQSTPPRRSRSGSSQPKA KSRTPPRRSRSSSSPPPKQKSKTPSR QSHSSSPHPKVKSGTTPRQGSITSP QANEQSVTPQRRSCFESSPDPPELKS RTPSRHSCSGSSPPRVKSSSTPPRQSP SRSSSPQPKVKAIISPRQRSHSGSSS PPSRVRTSRTTPRRSRSVSPCSNVES RLLPRYSHSGSSPDTKVKPETPPRQ SHSGSISPYPKVKAQTPPGPSLGSK SPCPQEKSKDVLVQSCPGSLSLCAG VKSSTPPGESYFGVSSLQLKGQSOTS PDHRSDTSSPEVRQSHSESPSLQSK SQTSPKGGRSRSSSPVTELASRSPIR QDRGEFSASPMKSGMSPEQSRFQ SDSSSYPTVDSNLLGQSRLETAESK EKMALPPQEDATASPPRQKDKFSPF PVQDRPESSLVFKDTLRTPPRERSGA GSSPETKEQNSALPTSSQDEELMEV VEKSEEPAGQILSHLSSSELKEMSTS NFESSPEVEERPAVSLTLDQSQQA SLEAVEVPSMASSWGGPHFSPEHKE LNSNPLRENSFGSPLEFRNSGPLGT EMNTGFSSSEVKEDLNGPFLNQLET DPSLDMKEQSTRSSGHSSSELSPDA VEKAGMSSNQSISSPVLDVAVPRTPS RERSSASSPPEMKDGLPRTPSRRSR SGSSPGLRDGSGTSPSRHSLSGSSFG MKDIPRTPSRGRSECDSSPEPKALP QTPRPRSRSPSSPELNNKCLTPQRE RSGSESSVDQKTAVARTPLGQRSRSG SSQELDVKPSASPQERSSESSSPDS KAKTRTPLRQRSRSGSSPEVDSKSR LSPRRSRSGSSPEVKDKPRAAPRAQS

GSDSSPEPKAPAPRALPRRSRSGSSS  
KGRGSPPEGSSSTESSPEHPPKSRTA  
RRGSRSSPEPKTKSRTPRRRSSRSS  
PELTRKARLSRRRSASSSPETRSRT  
PPRHRSPSVSSPEPAEKSRSSRRRR  
SASSPRTKTTSSRGRSPSPKPRGLQR  
SRSSRREKTRTRRRDRSGSSQST  
SRRRQRSSRSRVTRRRRGGSGYHS  
RSPARQESSRTSSRRRRGRSRTPPTS  
RKRSRRTSPAPWKRSRSPATH  
RRRSRRTPLISRRRSRRTSPVSRRR  
SRRTSVTRRRRSRSPVSRRRRSR  
RTPPVTRRRRSRRTPTTRRRRSRTP  
PVTRRRRSRTPPVTRRRRSRTP  
TRRRRSRRTSPVTRRRRSRTPVTR  
RRRSRRTSPVTRRRRSRTPPAIRRR  
SRRTPLLPRKRSRSPLAIRRRSR  
SRTPTARGKSLTRSPPAIRRRSAS  
GSSDRSRATPPATRNHSGSRTPP  
VALNSSRMSCFSRPSMSPPLDRCR  
SPGMLEPLGSSRTPMSVLQQAGGS  
MMDGPGPRIPDHQRTSVPENHAQS  
RIALALTAISLGTARPPPSMSAAGLA  
ARMSQVPAPVPLMSLRTAPAANLAS  
RIPAAASAAAMNLASARTPAIPTAVNL  
ADSRTPAAAAMNLASPRTAVAPSA  
VNLADPRTPTAPAVNLAGARTPAAL  
AALSLTGSGTPPTAANYPSSRTPQA  
PASANLVGPRSAHATAPVNIAGSRTA  
AALAPASLTSARMAPALSGANLTSR  
VPLSAYERVSGRTSPLLDRARSRT  
PSAPSQSRMTSERAPSPSSRMGQAP  
QSLLPPAQDQPRSPVPSAFSDQSR  
CLIAQTTPVAGSQSLSSGAVATTTSS  
AGDHNGMLSVPAQVPHSDVGEPP  
ASTGAQQPSALALQPAKERRSSSSS  
SSSSSSSSSSSSSSSSSSSSSSSSSS  
EGSSLPVQPEVALKRVSPPTAPKEA  
VREGRPPEPTPAKRKRSSSSSSSS  
SSSSSSSSSSSSSSSSSSSSSSSSSS  
SSSSSSSPAKPGPQALPKPASPKK  
PPGERRSRSPRKPIDSLRDSRSLSYS  
PVERRRSPQPSPRDQSSSSSERGS  
RRGQRGDSRSPSHKRRRETPSPRPM  
RHRSSRSP